



UNIUNEA EUROPEANA



POCU



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 - 2020

Formarea PROfesională a personalului din sistemul medical din România în GENetica medicală
PROGEN - SMIS 107623

PROGEN- CURS MODUL IV

Epigenetica in practica geneticii medicale

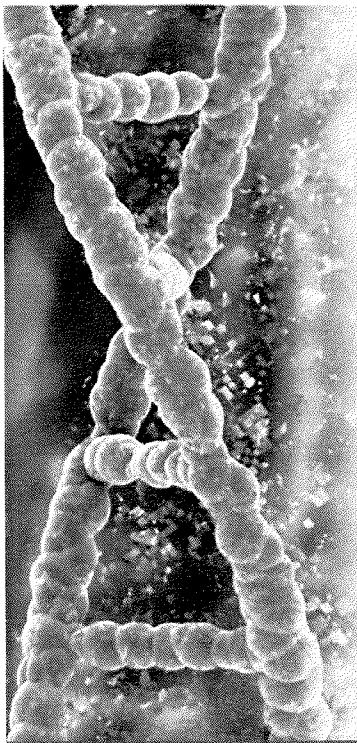
Farmacogenetica – inceputul promitor al unei noi specialitati medicale

Prof Dr. Natalia Cucu



INSTITUTUL
NATURAL

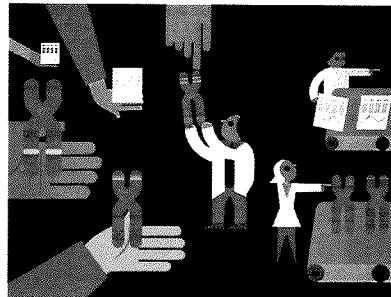
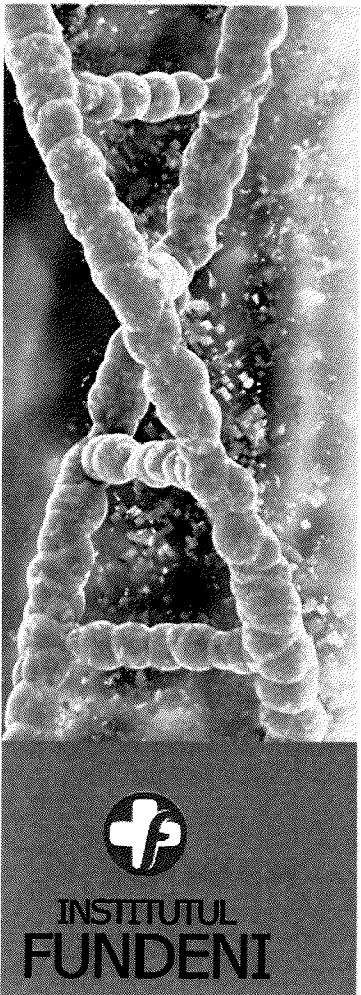
PROGEN



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

PROGEN – Obiectiv General

- Proiectul se aliniază cerințelor actuale ale **medicinei de precizie**: introducerea noilor concepții de biologie moleculară, de biomedicină sistemică.
- Obiectivul modern, dar dificil, al medicinei de precizie impune o **specializare a medicilor geneticieni**, în noi domenii ale eredității.
- **Specializarea cadrelor medicale**: **serviciul medical** să își atingă dezideratul major pentru care este realizat: acela de a aborda fiecare persoană într-un mod particular, considerând alături de evaluarea echilibrului său metabolic, identitatea sa biologică (genetică) moștenită sau dobândită în decursul vieții.
- Medicul poate da astfel un **diagnostic personalizat**, poate elabora o **schemă personalizată de tratament**, selectează un **medicament potrivit**, în doze potrivite pentru persoana diagnosticată cu o anumită boală.
- Mai mult, este posibil azi să se evaluateze riscul de îmbolnăvire a persoanei abordate și să se elaboreze o **schemă profilactică** sau să se prezinte un **prognostic al stării de sănătate** pentru descendenți.



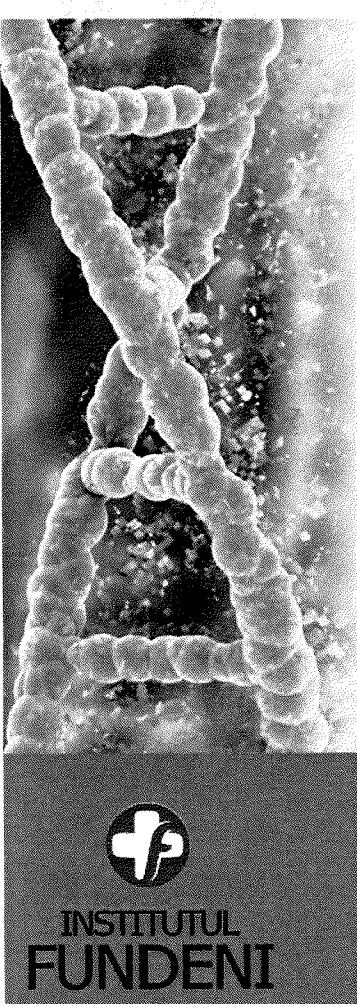
UNIUNEA EUROPEANA



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 - 2020

Genetica-Genomica Functionala-Epigenetica

- Proiectul pune accent pe noțiunile fundamentale clasice de genetică, citogenetică și genetică moleculară, evidențiind necesitatea introducerii **conceptelor moderne de genomică functionala și epigenomică, farmacogenomică si chiar nutrigenomică** în optimizarea actului medical complex.
- Medicina de precizie impune totodată și o **abordare tehnologică de vârf**, pe măsura complexității fenotipurilor moleculare și celulare definitorii pentru stări patologice particulare.
- **Interpretarea** rezultatelor trebuie să se alinieze cunoștințelor actuale privind mecanismul molecular al patogeniei bolilor.



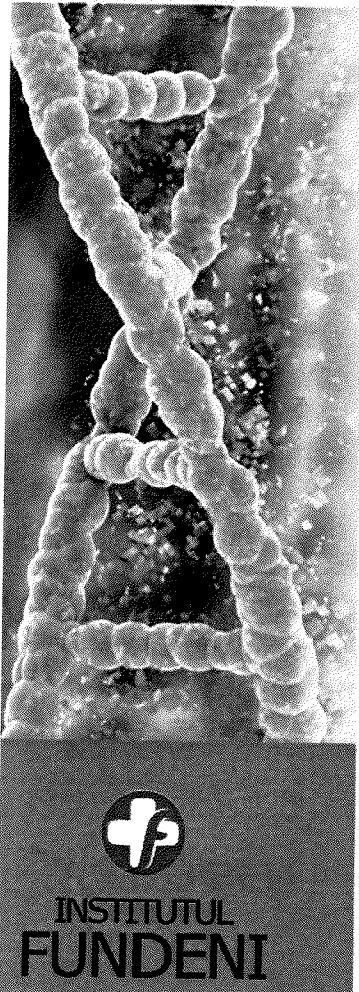
UNIUNEA EUROPEANA



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 - 2020

Genetica-Genomica Functionala-Epigenetica

- Dacă la inceputul anilor 2000, în plină desfășurare a programului de **descifrare a genomului uman**, medicina avea întrebări privind eficiența genomicii în explicarea proceselor de patogenie a bolilor și în optimizarea serviciului medical, în general, după aproape două decenii, *progresele tehnologice și științifice realizate în genomică medicală* sunt uimitoare.
- Ele au generat descoperiri remarcabile despre **structura și funcția genomului uman, dar și despre mecanismele moleculare ale patogeniei bolilor**.
- S-a depășit etapa **descifrării genomului** reprezentat de secvențele nucleotidice ale genelor codificatoare de proteine și s-a pășit în etapa **genomicii functionale**. Astfel, în realizarea fenotipului normal și patologic sunt evidențiate astăzi *retele distincte de control al funcției genomului*, implicând diferite categorii de elemente funktionale la nivelul nuclear și citoplasmatic.



UNIUNEA EUROPEANA

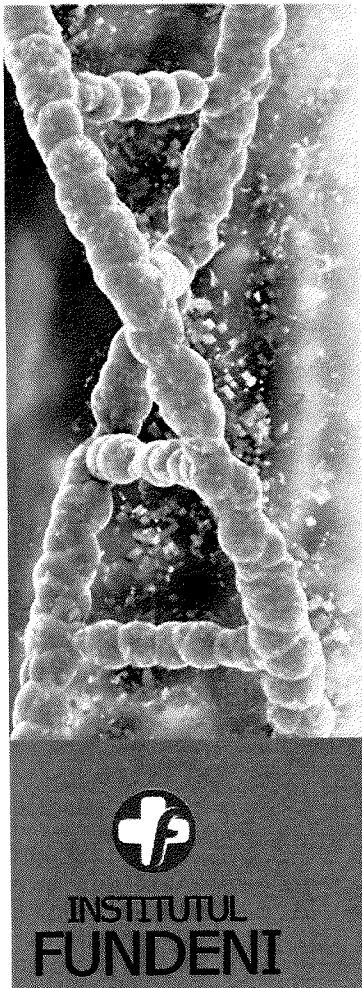


Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020



Genetica-Genomica Funcțională-Epigenetica

- Genomica funcțională consideră nu numai relația **gena-proteină-fenotip celular**, ci acordă importanță atât **relațiilor intergenice**, cât și **relațiilor dintre gene și mediu**
- Fenotipul metabolic este descris astfel prin **rețele funcționale** ce includ căi distincte metabolice, de semnalizare sau reglatorii. Cercetarea acestora poate să conducă la înțelegerea profundă a mecanismelor bolii.



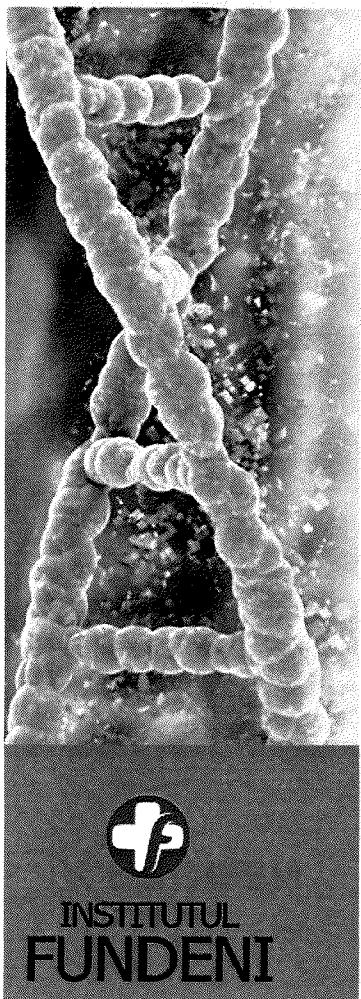
UNIUNEA EUROPEANA



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Genetica-Genomica Functionala-Epigenetica

- Prin aceste achiziții noi în biologia moleculară, medicina genomică redefineste **concepția actuală despre boală**: aceasta este o concepție sistemică, prin care boala este considerată ca o perturbare a unor rețele complexe, integrate, moleculare.
- Cunoașterea acestor rețele moleculare de către specialiștii în medicină contribuie la creșterea capacitatii acestora de a **defini mai precis fenotipurile moleculare ale pacienților**, cât și la creșterea potentialului lor de a ameliora radical îngrijirile medicale.
- **Medicina genomică** pune bazele **medicinii personalizate**, aceasta având pe primul plan: individul bolnav" și nu "boala". Astfel, medicina personalizată adaptează și optimizează furnizarea de servicii medicale (teste și decizii) la profilul genetic al unui pacient și le ajustează la necesitățile sale.
- **Medicina genomică** va permite în consecință clinicianului să **decidă rapid, eficace și precis** cea mai adekvată conduită de acțiune pentru un anumit pacient. Serviciul medical va implica, în consecință: (i) detectarea precoce a bolii și diagnosticul ei specific; (ii) stabilirea mai precisă a progresiei și severității bolii, precum și prognosticul pacientului; (iii) alegerea terapiei optime (tip de agent farmaceutic și doză) pentru individ, considerând predicția farmacogenomică și prevenirea unor reacții adverse și (iv) monitorizarea raspunsului la tratament.



UNIUNEA EUROPEANA



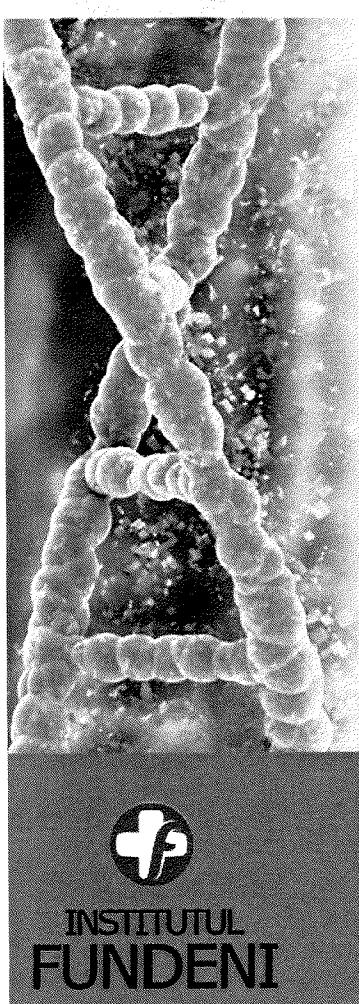
Instrumente Structurale
2014-2020

Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Genetica-Genomica Functionala-Epigenetica

Tematica generala MODULUL 4: EPIGENETICA – FARMACOGENETICA- NUTRIGENETICA/ NUTRIGENOMICA

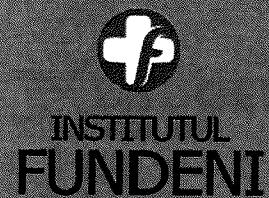
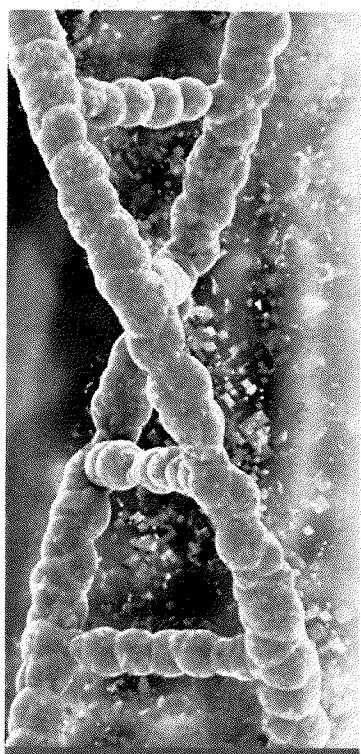
- Organizarea celulară a ADN: accent pe structura cromatinei
- Relatia dintre structura cromatinei si expresia genei: Controlul expresiei genelor la nivel nuclear si citoplasmic (factori de remodelare a cromatinei/transcripte ARN necodificatoare)
- Relatia Genom-Mediu: plasticitatea celulara/reprogramarea spatio-temporală a functiei genelor
- Factori epigenetici la nivelul nucleului (transcriptomici): Codul metilarii ADN si Codul histonic: factori de remodelare a cromatinei in relatia cu expresia genelor
- Factori epigenetici la nivelul citoplasmei: Sistemul ARN de interferenta
- Genetica dezvoltarii si rolul informatiei epigenetice
- Epigenetica in procesele de reproducere: Imprinting genetic si boli cu transmitere non-Mendeliana



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Genetica-Genomica Functionala-Epigenetica

- Factori genetici si epigenetici in dezvoltarea neuronala/in bolile neurodegenerative
- Factori genetici si epigenetici in bolile cronice metabolice
- Factori genetici si epigenetici in cancerogeneza.
- Notiuni generale privind relatia dintre gene si substantele bioactive din medicamente:
farmacogenetica
- Proteinele P 450 si markeri farmacogenetici asociati medicamentelor
- **Aspecte aplicative si tehnice:**
- Exemple de markeri epigenetici in diverse patologii
- Teste genetice asociate cu tratamentul tintit anticancer: receptori kinazici si tinte terapeutice anticancer nonreceptori cu domenii kinazice
- Notiuni fundamentale de Nutrigenetica si Nutrigenomica. Rolul epigeneticii in relatia gene-mediul
- Tehnici de analiza a expresiei genelor la nivel ARN si proteine
- Tehnici de analiza a metilarii ADN/Tehnici de analiza a modificarii histonelor (ChIP)
- Secentiere de generatie noua



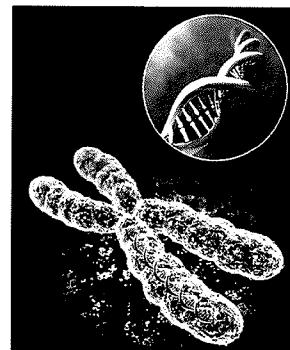
UNIUNEA EUROPEANA



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

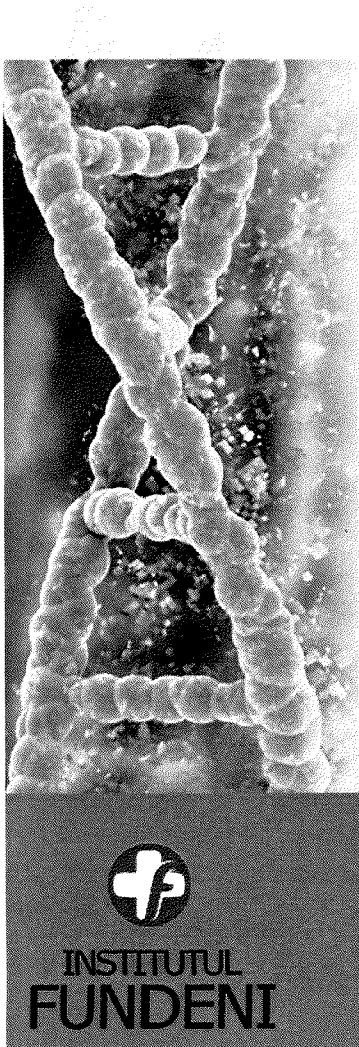
Genetica-Genomica Functionala-Epigenetica

De la Genetica Clasica- Focus: Cod ADN static



Static DNA code	Epigenetic code
Highly conserved during mitosis and meiosis, mendelian inheritance	Semi-conserved during mitosis and meiosis
Interindividual differences in primary sequence is relevant to diseases	The epigenetic code functionally interacts with the static DNA code
Strong evolutionary conservation	Rapid evolutionary divergence
Identical in all cell types	Differs between cell types, responsive to environment
Gene therapy required	Amenable to pharmacologic intervention

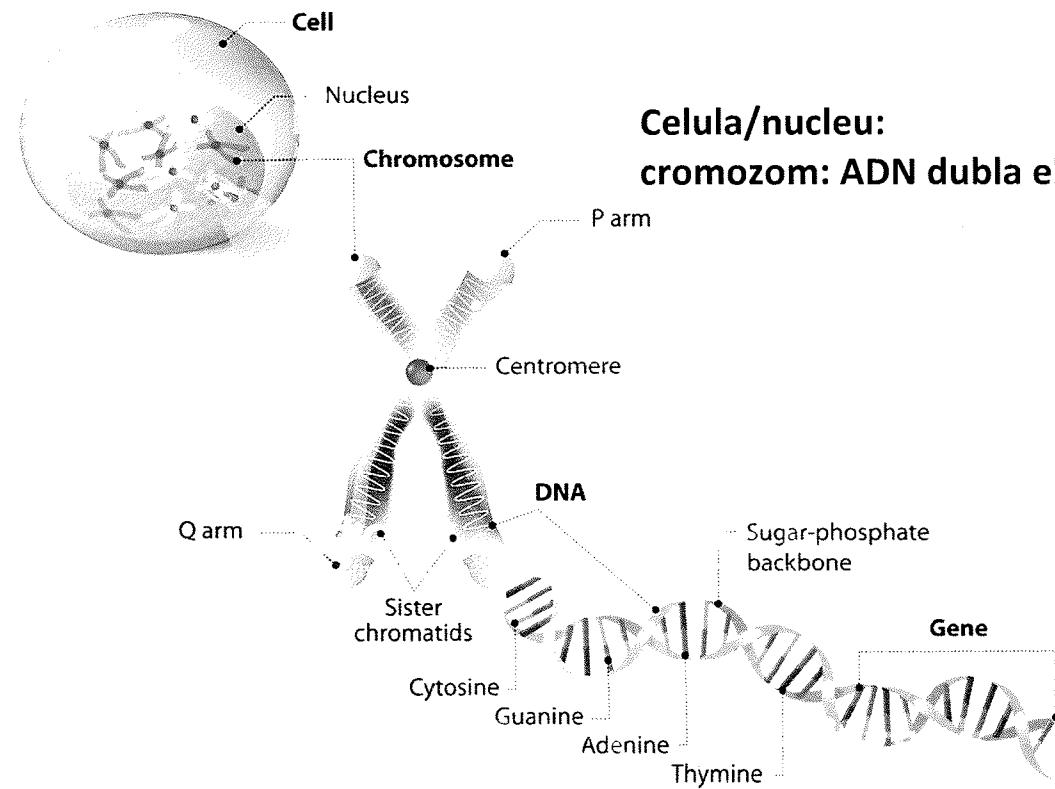
La Genetica Moleculara Moderna- include Genomica functionala:
Focus- Dinamica functiei genelor intr-un context de mediu variabil



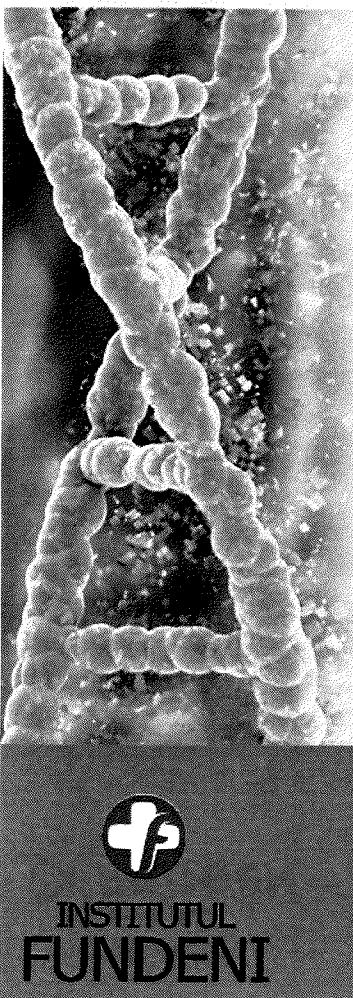
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 - 2020

Genetica-Genomica Functionala-Epigenetica

Conceptul de biologie moleculara clasica



**Celula/nucleu:
cromozom: ADN dubla elice/sevenita nucleotidica**

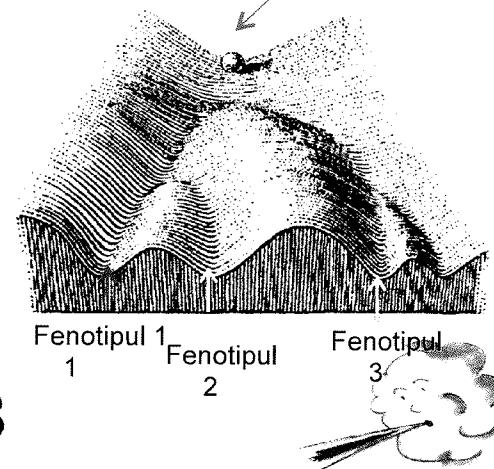


EPIGENETICA: concept/istoric/abordare modernă

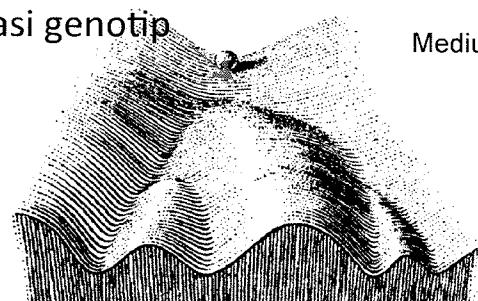
Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

EPIGENESIS concept introdus de Waddington A,C, in 1940) The basic relationship between genotype and cell pgenotype

A Concept clasic Acelasi genotip

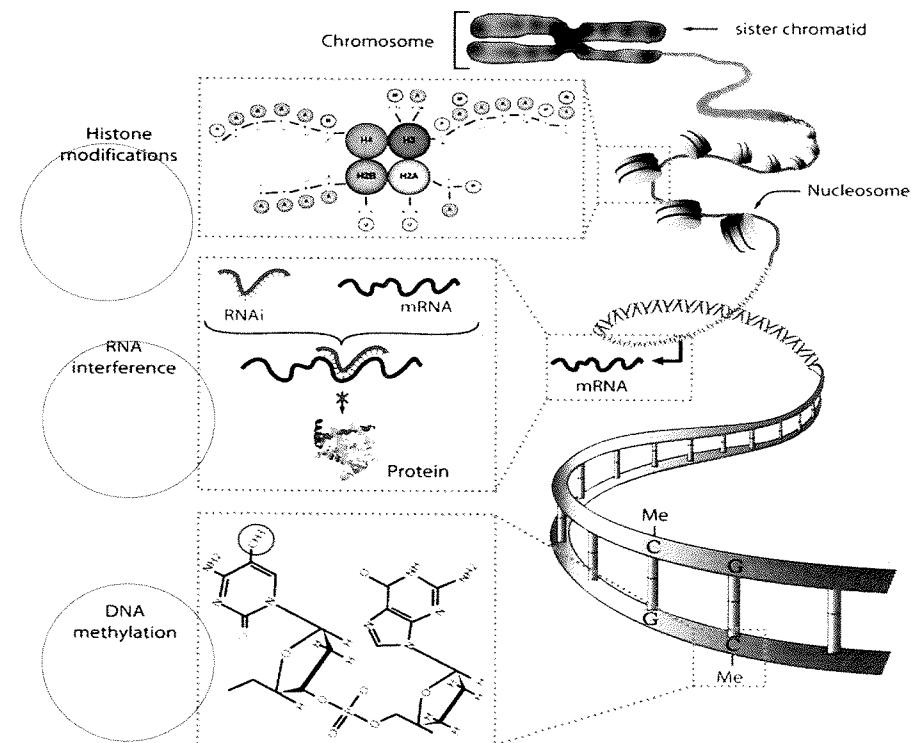


B Acelasi genotip

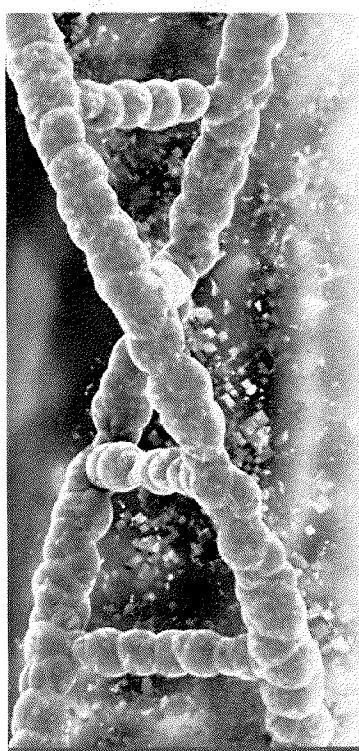


Concept modern

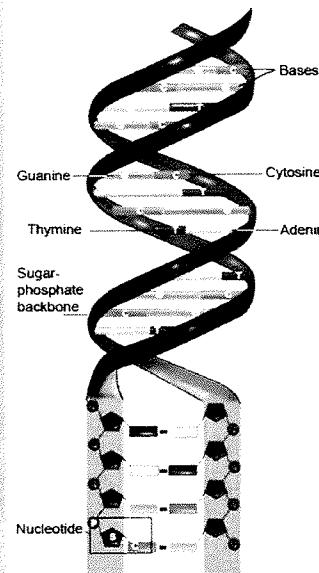
Mecanismele moleculare detaliate care stau la baza variatiei functiei



Referinta : Curs Epigenetica: Universitatea din Bucuresti/Dept Genetica: Prof Dr Natalia Cucu



ADN dublu catenar

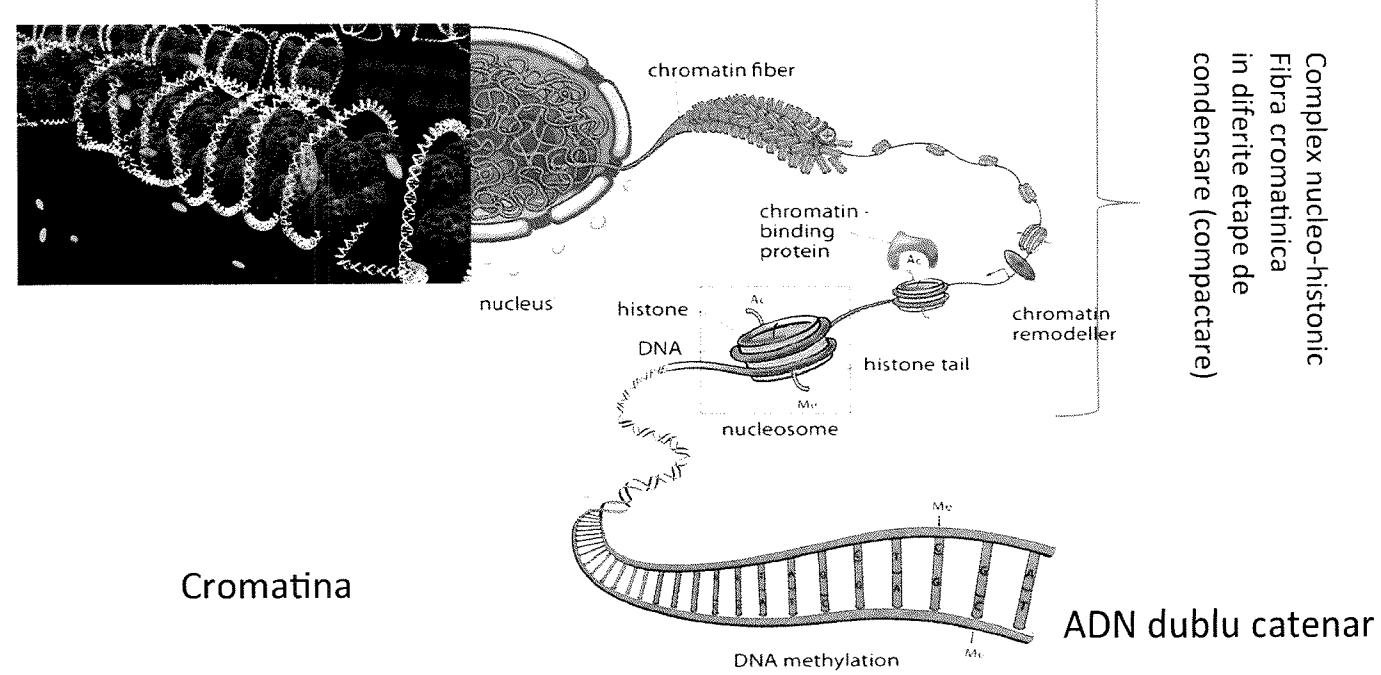


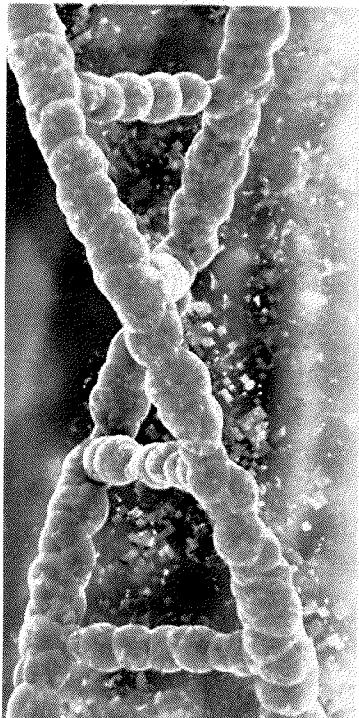
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

1. Organizarea celulară a ADN: accent pe structura cromatinei

Complexitatea structurii și dinamicii ***materialului genetic***

ADN în cadrul Cromatinei (complex nucleo-histonic cu conformație dinamică)





Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

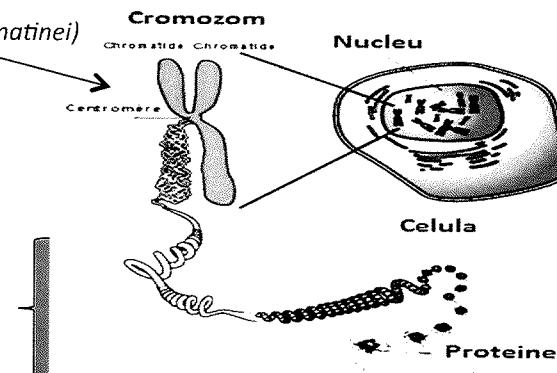
1. Organizarea celulară a ADN: accent pe structura cromatinei

Conceptul actual in biologie

**Materialul genetic in genetica moleculara clasica si moderna:
ADN/cromozomi/cromatina**

cromozomi metafazici

(nivelul de compactare maxima a cromatinei)



**Cromatina
complex ADN dubla elice-histone**
(diferite etape de compactare)

Elemente noi in Biologia moleculara:

Mediu

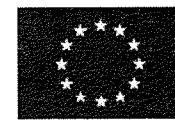
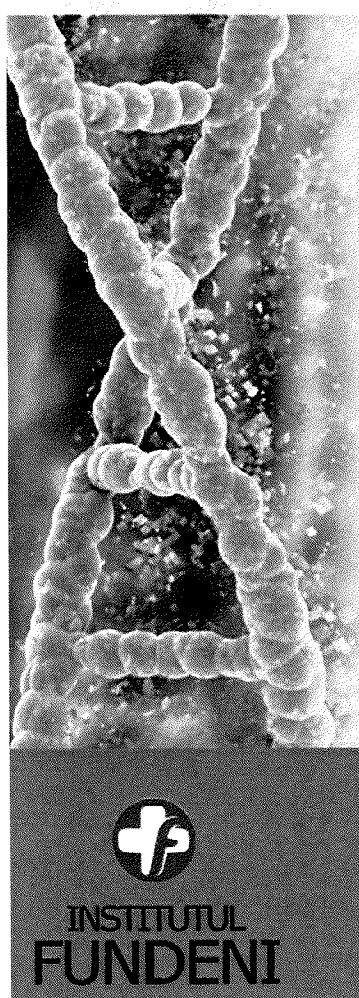
Structura cromatinei

Nucleohistona

Conformatia cromatinei: dinamic,
controlata transcriptional

molecula ADN dubla elice

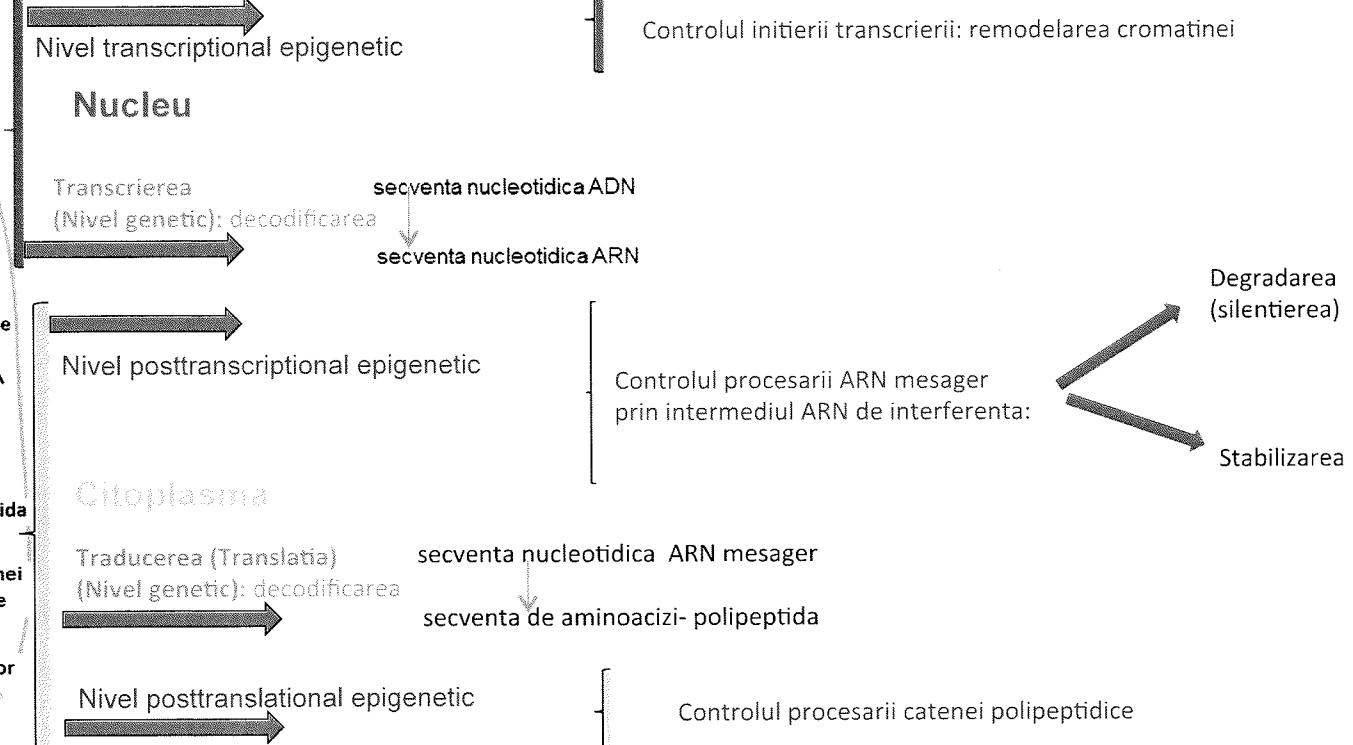
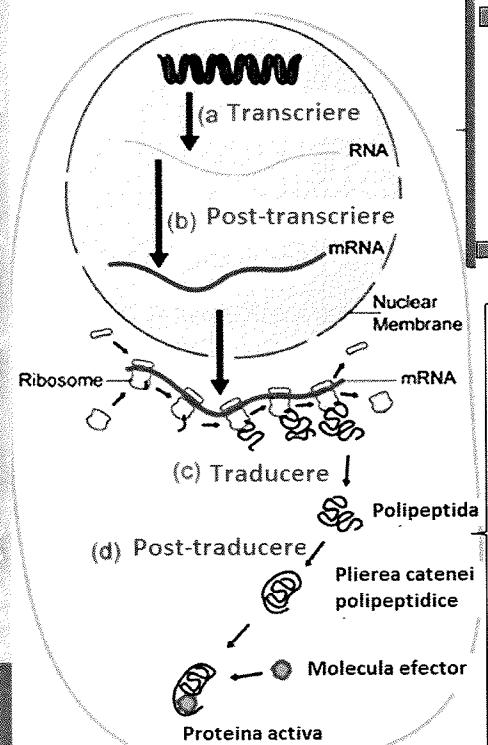
(structura primara care codifica informatia genetica= secventa nucleotidica)

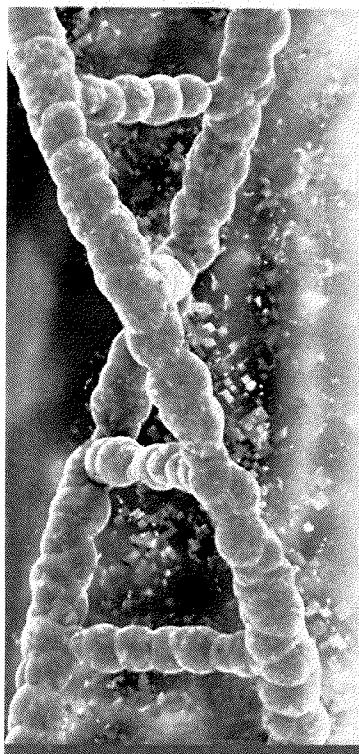


2. Relatia dintre structura cromatinei si expresia genei: factori genetici si epigenetici

Functia genei=Expresia genei (transcrierea si traducerea informatiei genetice)

Etape de control al functiei de transcriere (exprimare)





2. Relatia dintre structura cromatinei si expresia genei: factori genetici si epigenetici

Proiect finantat din Fonduri Sociale Europene prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 - 2020

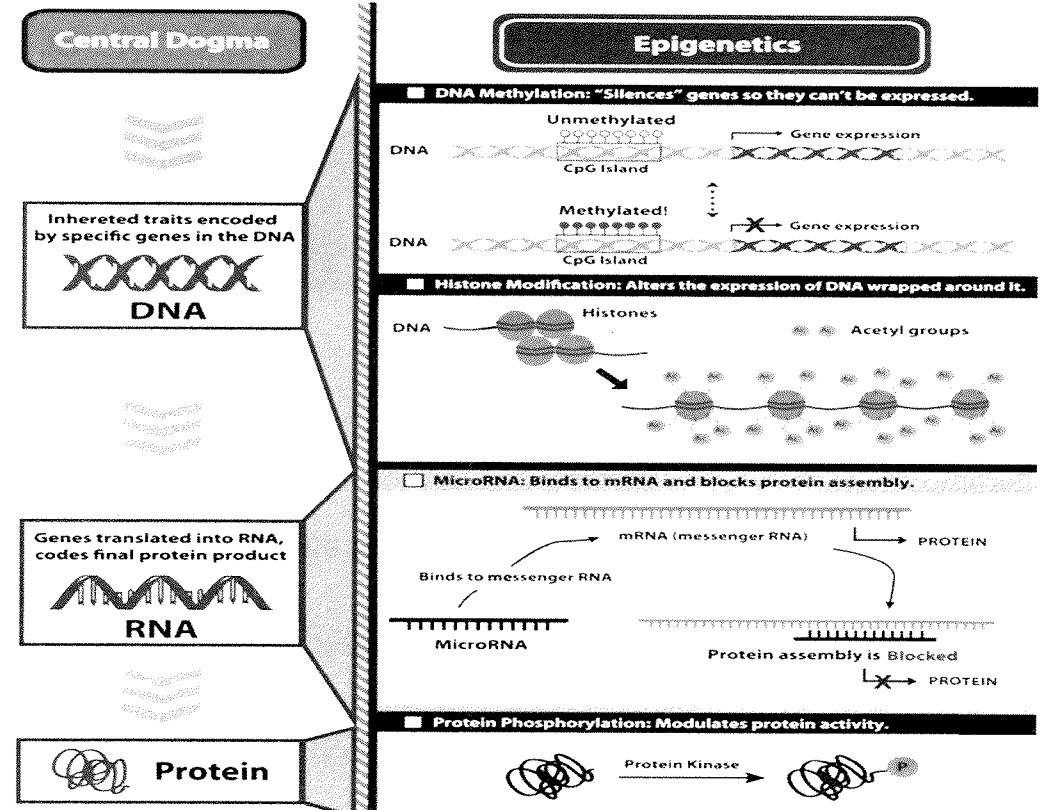
Dogma centrala a geneticii clasice- Dogma epigeneticii

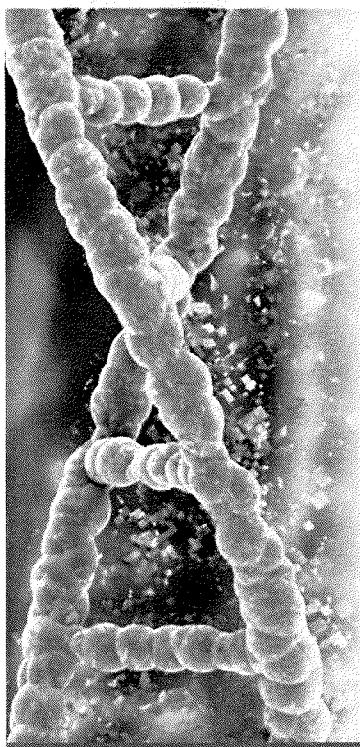
Informatia genetica

Informatia epigenetica

De la Genetica clasica
La
Genomica si Epigenetica

Rolul functiei genelor



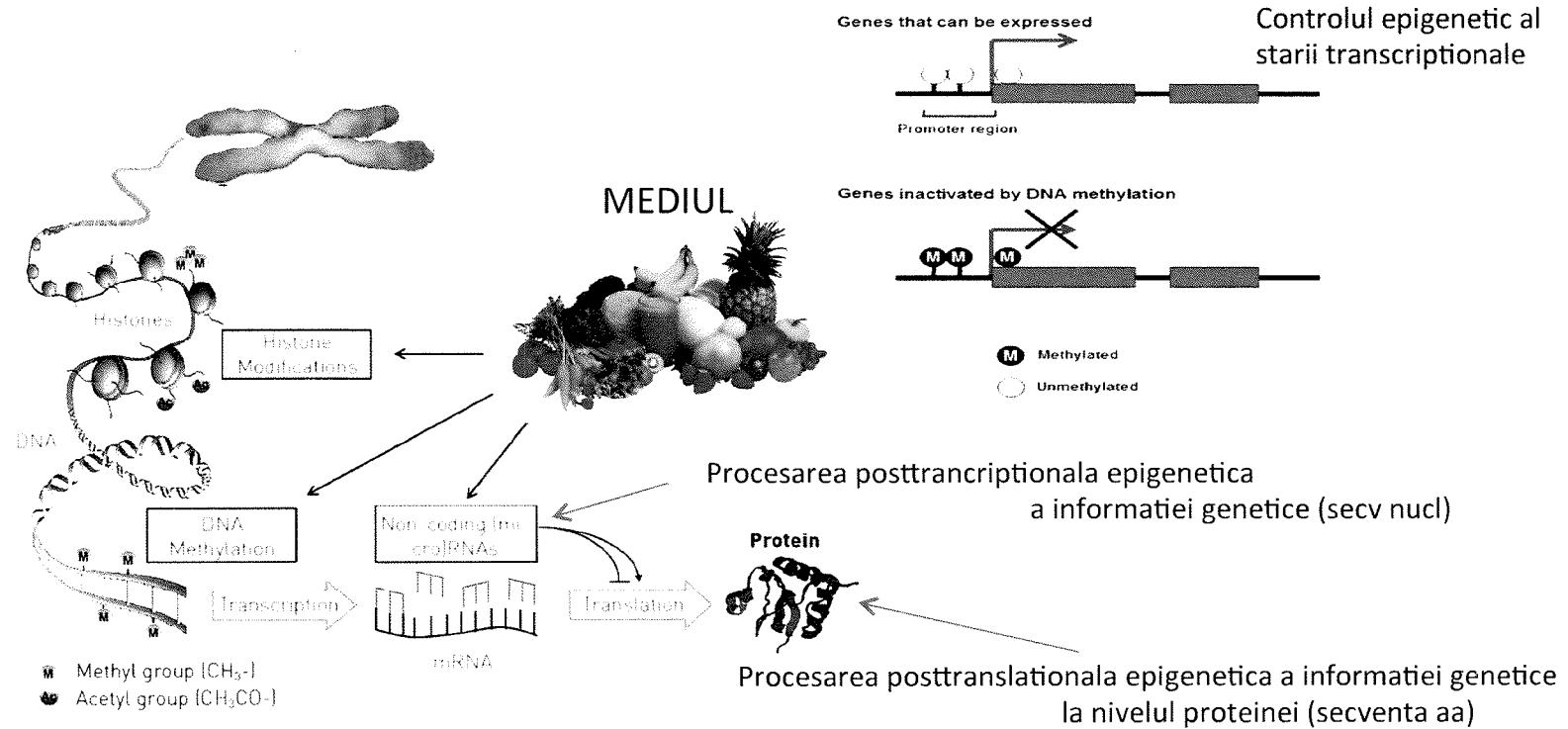


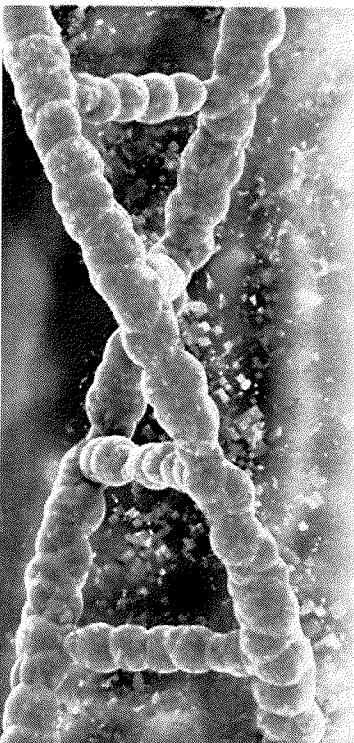
Compactarea si remodelarea cromatinei



3. Relatia Genom-Mediu: plasticitatea celulara/reprogramarea spatio-temporală a functiei genelor

Noul concept de “Gena”- informatia ereditara epigenetica- aditionala informatiei genetice;
relatia cu mediul
considerarea functiei variabile a genelor

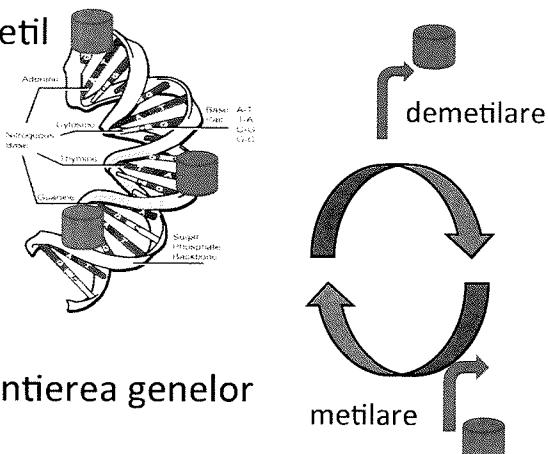




3. Relatia Genom-Mediu: plasticitatea celulara/reprogramarea spatio-temporală a funcției genelor la nivel nuclear (transcriptional)

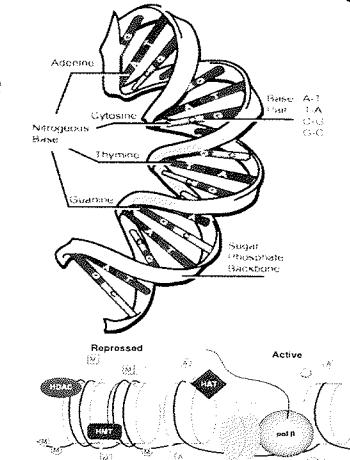
Plasticitate vs. Stabilitate Reprogramarea programului functional al genelor

Grupe metil



Silentierea genelor

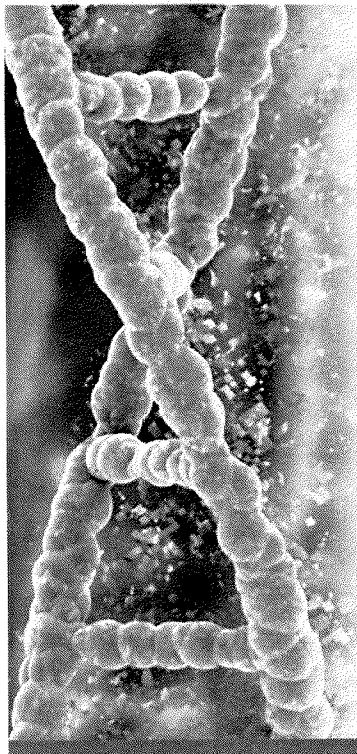
Activarea genelor



Procese epigenetice, independente de informatie genetica mostenita

Referinta : Curs Epigenetica: Universitatea din Bucuresti/Dept Genetica: Prof Dr Natalia Cucu

Chromatin State	Mark/Modif.	Enzyme Involved	Type of Process	Genomic Region	Effect
Heterochromatin	Me	Methyltransferases	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Heterochromatin	Ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K27me3	P-III	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Heterochromatin	H3K27ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K36me3	P-III	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Heterochromatin	H3K36ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K4me3	P-III	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Heterochromatin	H3K4ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K9me3	P-III	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Heterochromatin	H3K9ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K27ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K36ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K4me3	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Heterochromatin	H3K9me3	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Euchromatin	Me	Methyltransferases	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Euchromatin	Ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Euchromatin	H3K27me3	P-III	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Euchromatin	H3K27ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Euchromatin	H3K36me3	P-III	Epigenetic	Gene bodies	Gene silencing
Euchromatin	H3K36ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Euchromatin	H3K4me3	P-III	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Euchromatin	H3K4ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Euchromatin	H3K9me3	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation
Euchromatin	H3K9ac	HAT	Epigenetic	Gene bodies	Gene activation

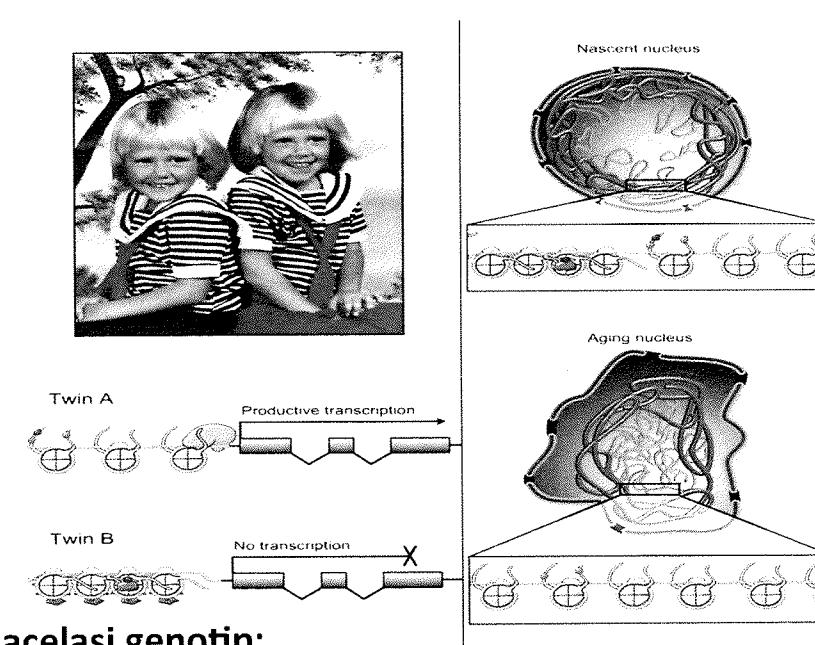


Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 – 2020

3. Relatia Genom-Mediu: plasticitatea celulara/reprogramarea spatio-temporală a functiei genelor

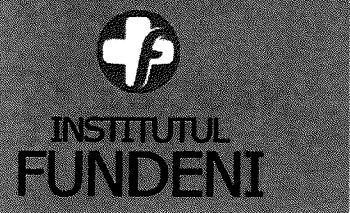
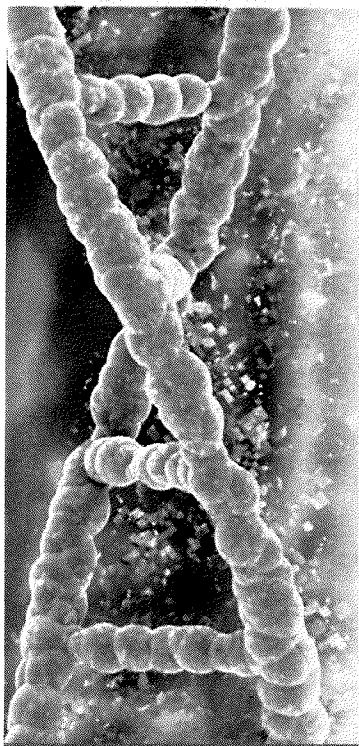
Exemplu: Celulele neuronale sunt extrem de sensibile la cele mai schimbari ambientale. Plasticitatea lor le permite modificarea permanentă a epigenomului, iar acesta își exercită un efect permanent asupra metabolismului celular în funcție de mediu și de stres.

Dovezi ale influenței mediului asupra genelor



Gemenii univitelini prezintă același genotip:
influența mediului asupra epigenomului poate fi însă diferita

Referință : Curs Epigenetica: Universitatea din București/Dept Genetica: Prof Dr Natalia Cucu



UNIUNEA EUROPEANA



3. Relatia Genom-Mediu: plasticitatea celulara/reprogramarea spatio-temporală a funcției genelor

Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Gemeni univitelini= Acelasi Genotip, in toate tesuturile/Epigenotipuri variabile

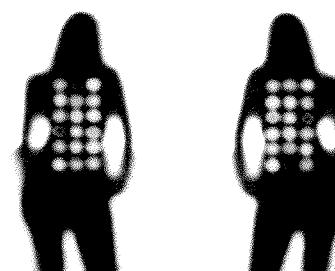
Varsta tanara- epigenotipuri similare

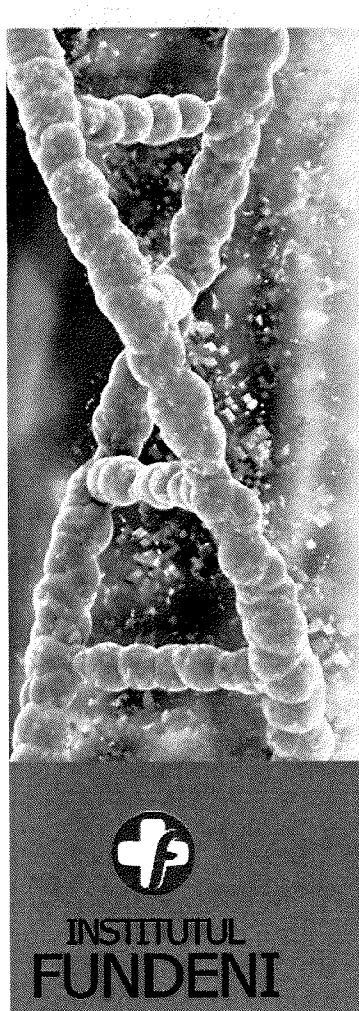
Varsta inaintata- Epigenotipuri total diferite

Susceptibilitate de boala diferita

Adaptare la mediu diferita

Explicatia: interactia cu mediul





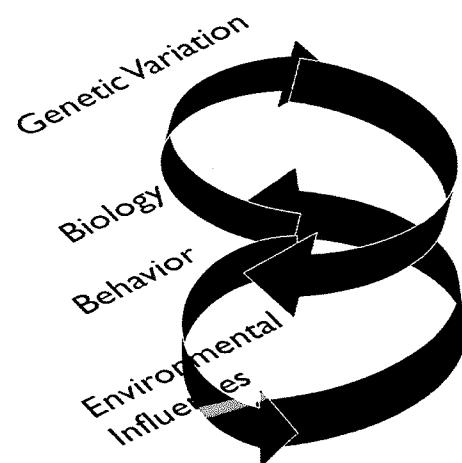
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

3. Relatia Genom-Mediu: plasticitatea celulara/reprogramarea spatio-temporală a functiei genelor

Elementele de personalizare:

Genetica moleculara- Genomica functionala-Epigenetica

Epigenetica: informatia aditionala celei genetice, cu rol de control al functiei genelor in relatia cu mediul



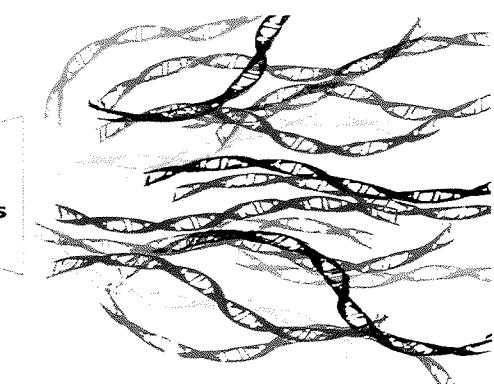
Acelasi genotip

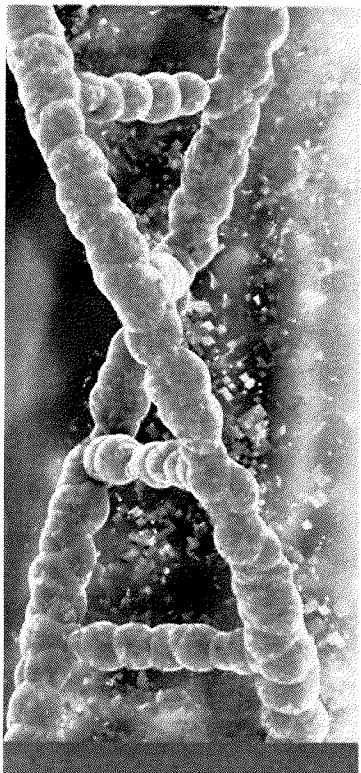
genetics.



MEDIU

Fenotipuri variate

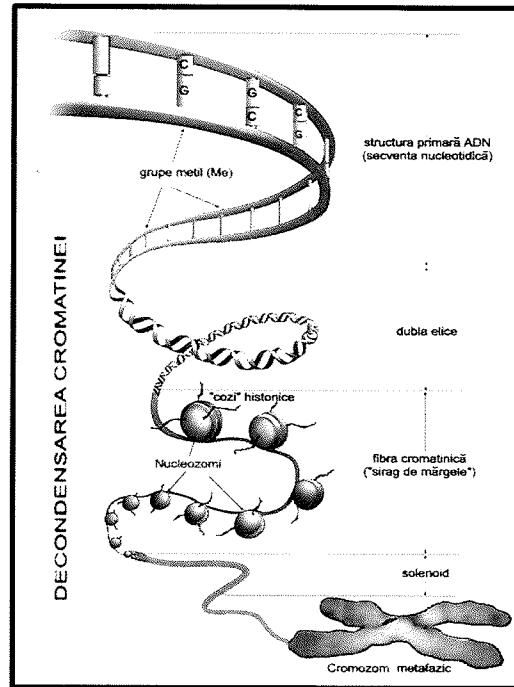




Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptionali

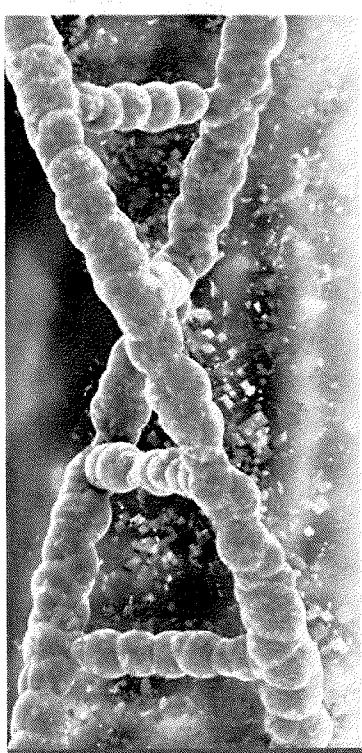
Etape in compactarea materialului genetic-cromatina



Procese majore care controlaaza compactarea cromatinei (remodelarea cromatinei) :

-Metilarea ADN

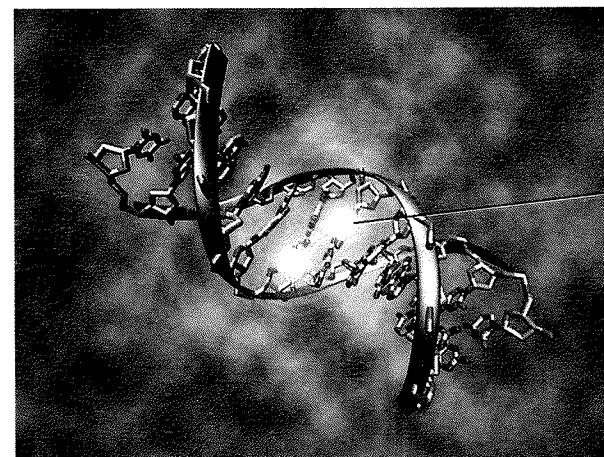
-Modificarea covalenta a histonelor (metilarea, acetilarea, deacetilarea, demetilarea, fosforilarea etc)



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 - 2020

4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptionali

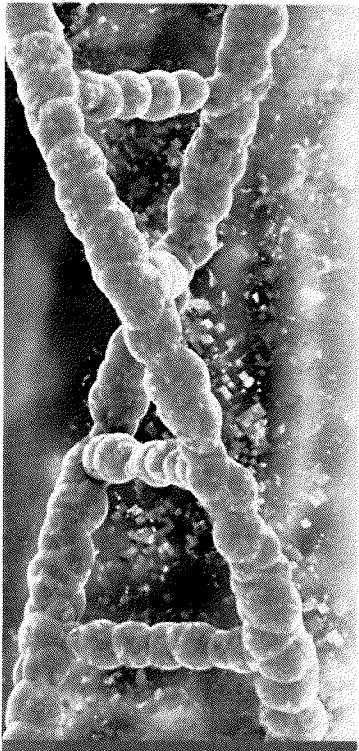
Metilarea ADN



5MeC= baza minora

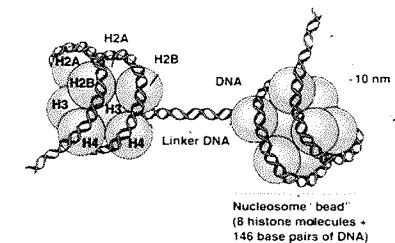
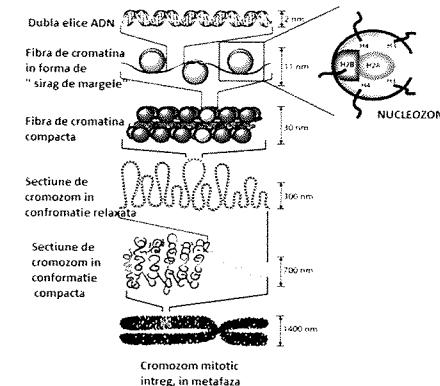
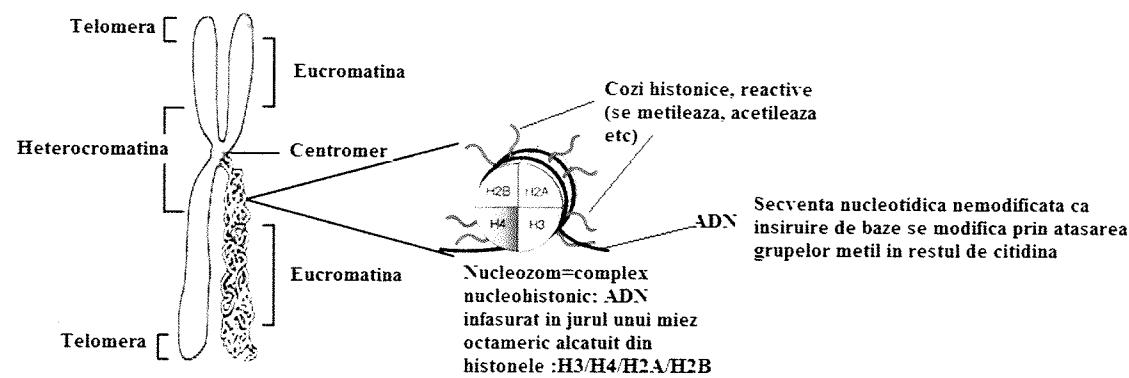
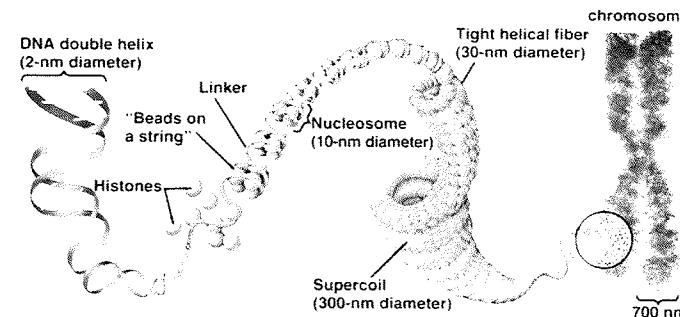
(nucleotida Citidina prezinta grupa metil (puncte luminoase) atasata; este forma metilata a citidinei)

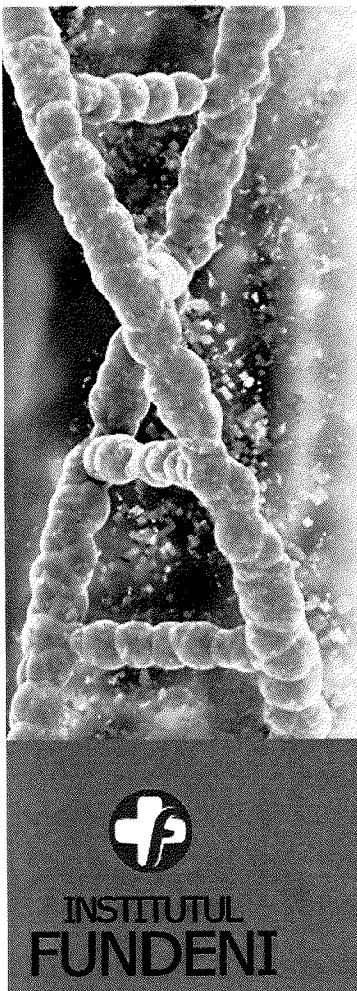
**Reprezentarea perspectivica a ADN metilat,
dublu catenar**



4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptionalii

Structura cromatinei, Compactarea/decompactarea cromatinei, Structura nucleozom





4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptionali

Procesul enzimatic al metilarii ADN: substrat=dubla elice AND- baza majora (C)

enzima: ADNmetiltransferaza

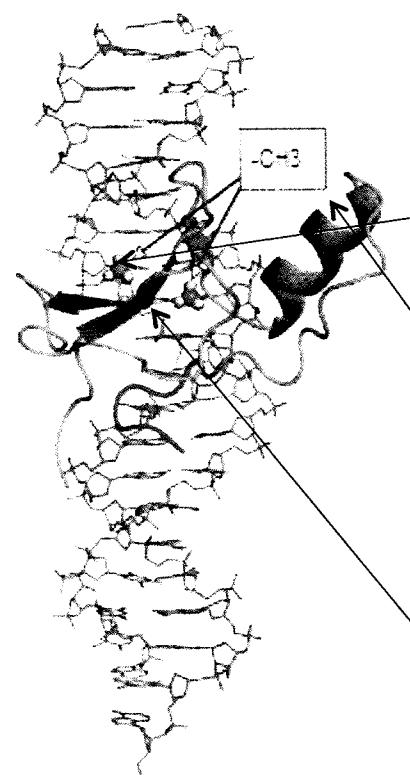
donor de grupe chimice –metil (CH₃)= SAM

Metilarea ADN depinde de dieta

Conditii sarace de grupe metil

(folati, colina, betaina)

modifica termodinamica reactiei de metilare ADN



Citidina metilata 5MeC in seventa
nemodificata a dublei elici ADN

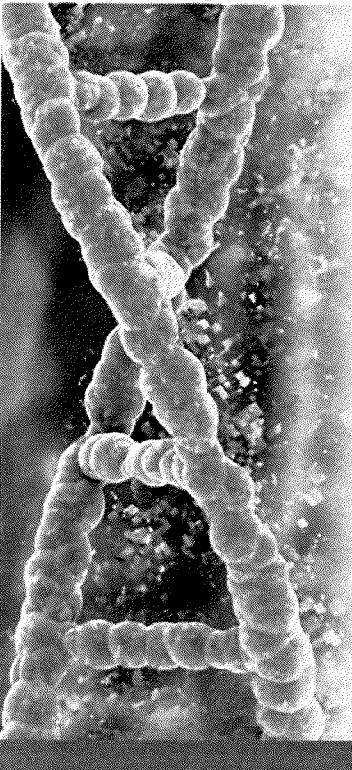
SAM- sau AdoMet= S-adenozil metionina

Metionina-doar din dieta

Grupa metil-doar din dieta

Grupa metil si Citidina metilata 5MeC in
seventa

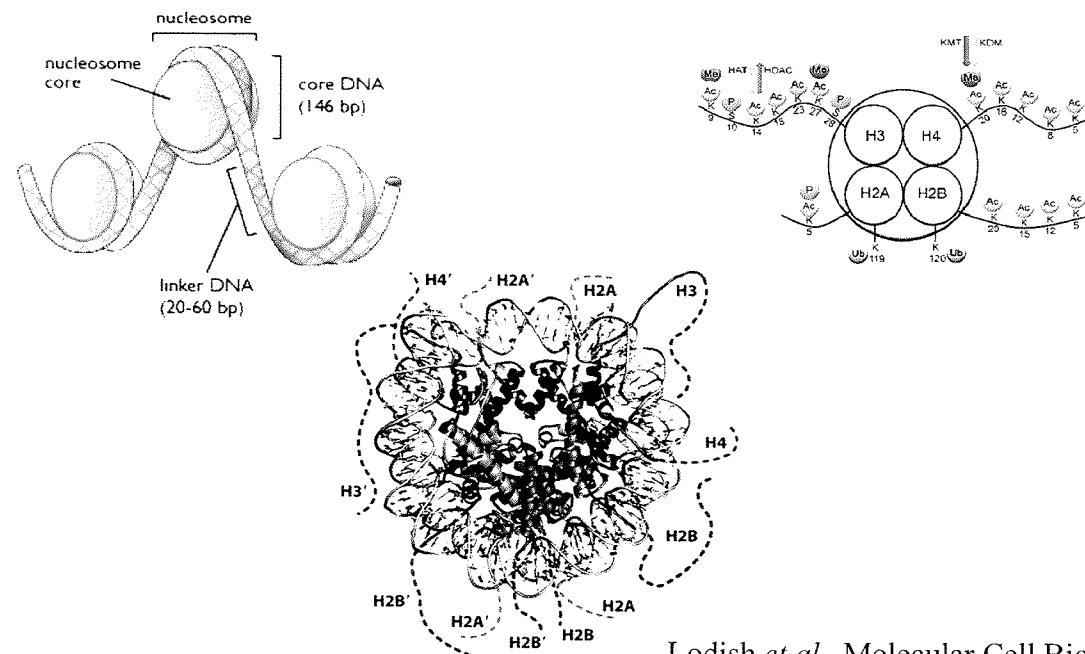
Enzima ADN metiltransferaza se ataseaza la inelul pirimidinic al C
Donorul de grupe metil SAM



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 – 2020

4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptional

Codul Histiconic: modificarile posttranslational ale histonelor corespund codului epigenetic al metilarii AND in controlul transcriptional modificarea covalenta a histonelor in cadul nucleozomului

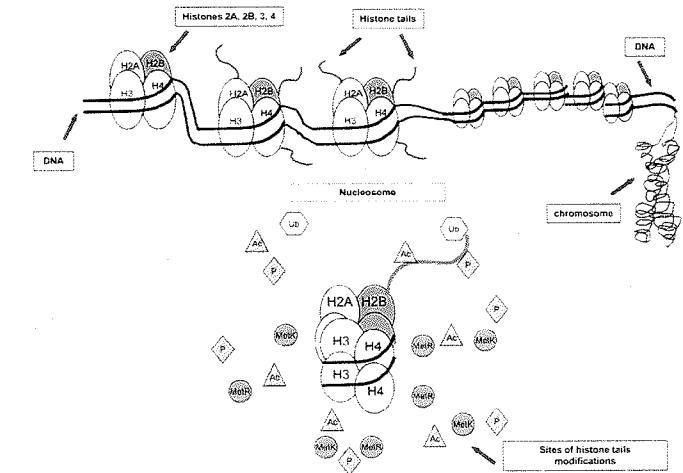
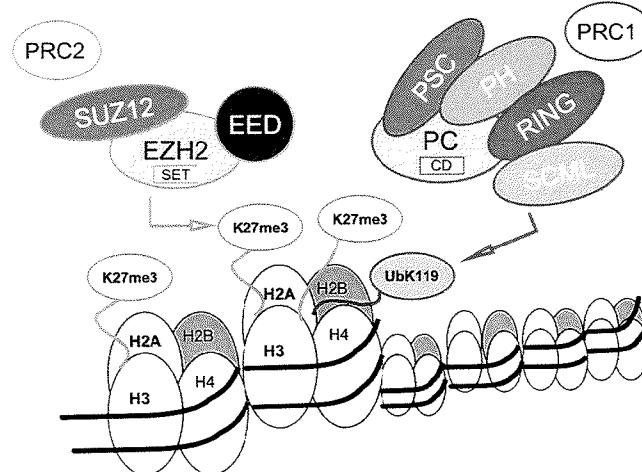
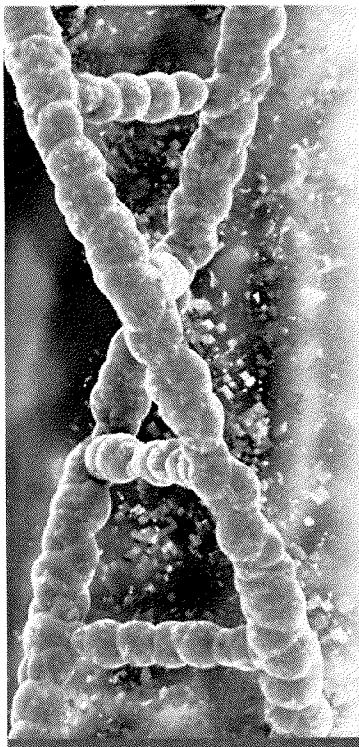


Lodish et al., Molecular Cell Biology, 6th ed.

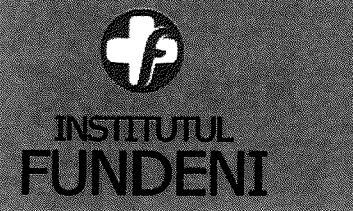
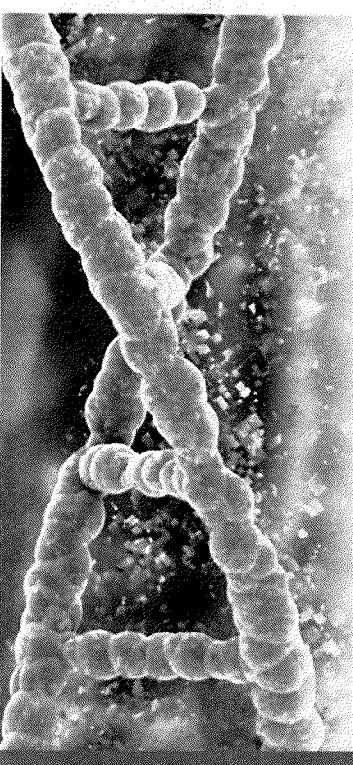
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 – 2020

4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptionali

Codul Histiconic: modificarile posttranslationale ale histonelor au rol de remodelare a conformatiei cromatinei



Choi S , Friso S Adv Nutr 2010;1:8-16

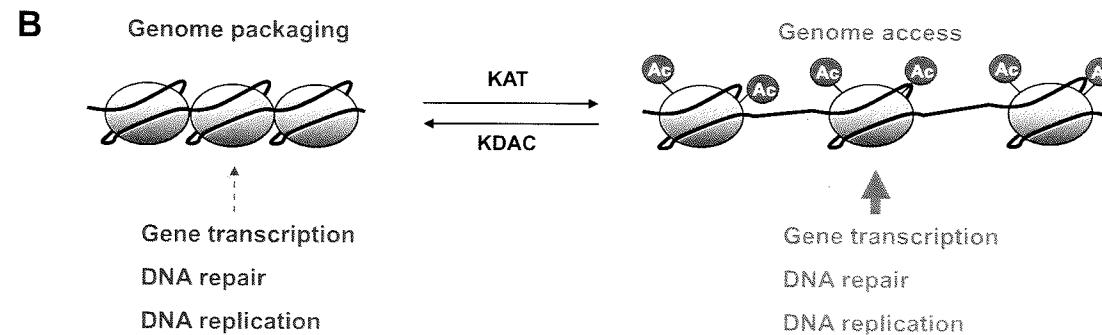


Instrumente Structurale
2014-2020

Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 – 2020

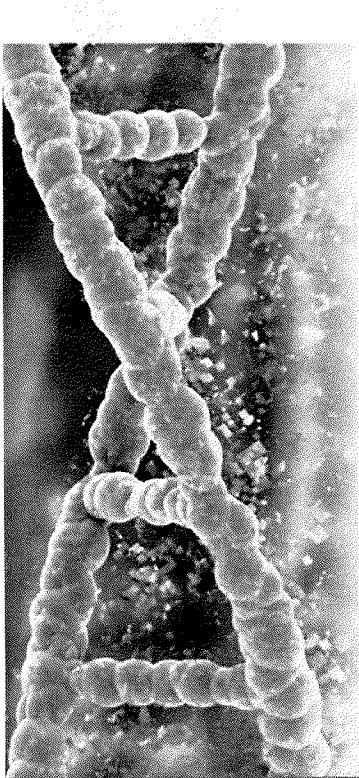
4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptionalii

Codul metilarii ADN si Codul Histiconic: controlul transcriptional al functiei genelor (activare/inactivare prin remodelarea cromatinei)



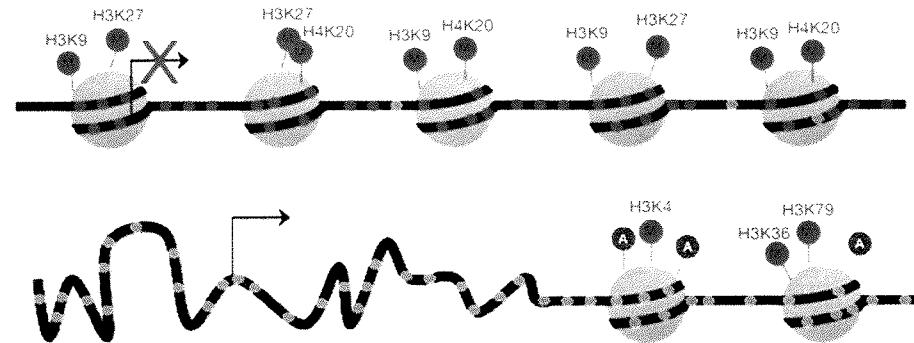
Compactarea cromatinei si accesibilitatea factorilor genetici de transcriere

Cromatina represiva factorilor de transcriere (silentierea genelor)
Cromatina accesibila factorilor de transcriere (activarea genelor)



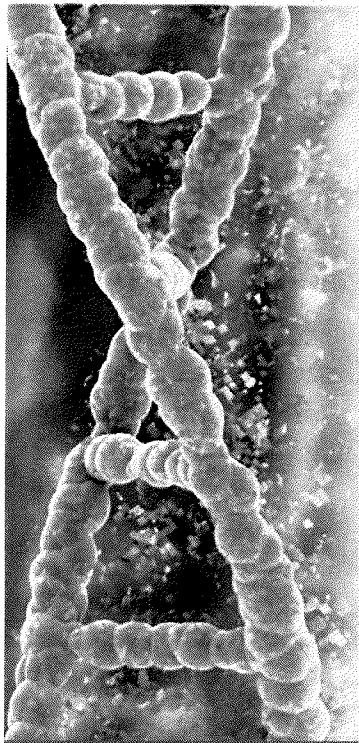
4. Factori epigenetici la nivelul nucleului- Transcriptionali

Codul metilarii ADN si Codul Histiconic: controlul transcriptional al functiei genelor (activare/inactivare prin remodelarea cromatinei)



Compactarea cromatinei si accesibilitatea factorilor genetici de transcriere

Cromatina represiva factorilor de transcriere (silentierea genelor)
Cromatina accesibila factorilor de transcriere (activarea genelor)



4. Factori epigenetici la nivelul citoplasmei- Post-Transcriptionali ARN de interferenta

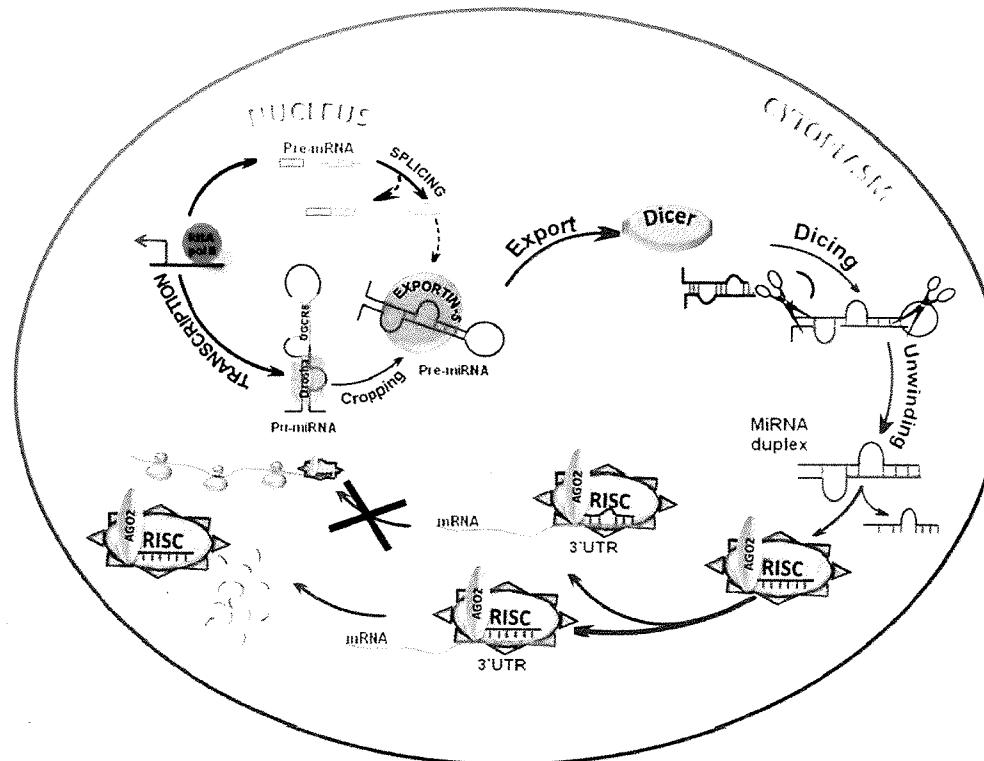
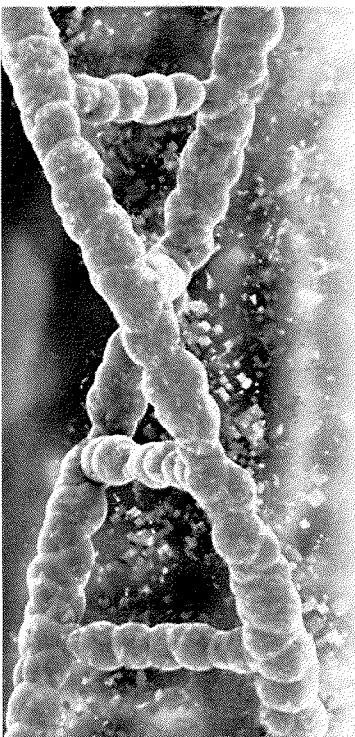


Fig. 1. MicroRNAs biogenesis and activity.



UNIUNEA EUROPEANA



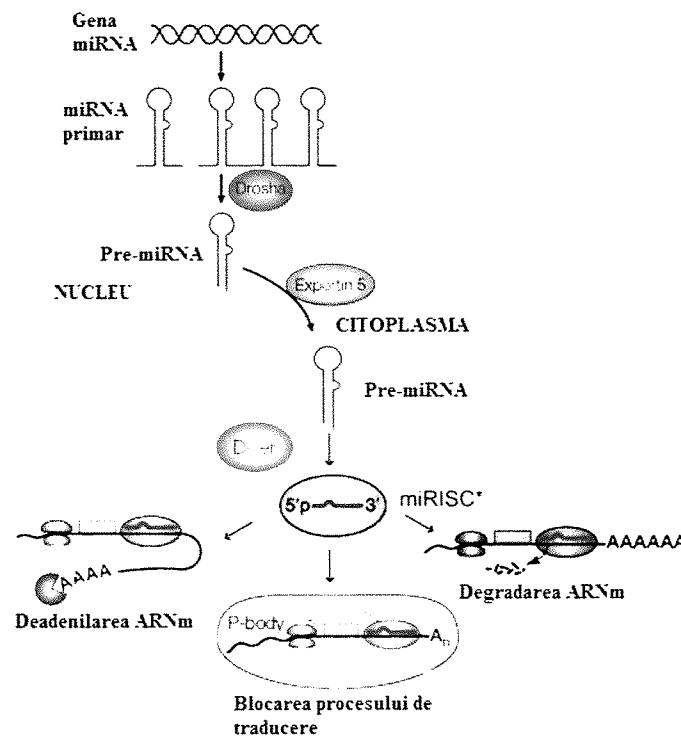
Proiect cofinantat din Fonduri Sociale Europeene prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 – 2020

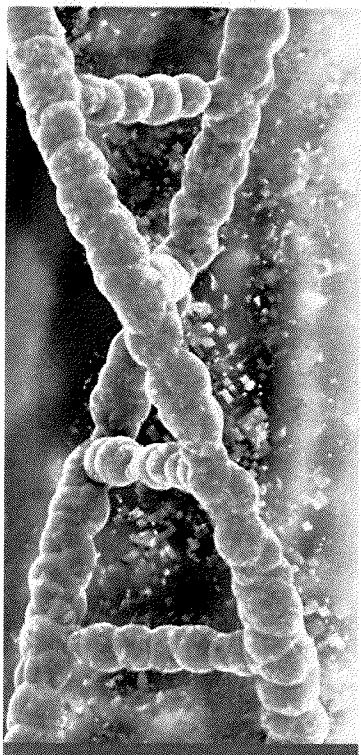


Instrumente Structurale
2014-2020

4. Factori epigenetici la nivelul citoplasmei- Post-Transcriptionalni ARN de interferenta

Proces de reglare a expresiei genice prin intermediul informatiei epigenetice codificata de sistemul ARN de interferenta





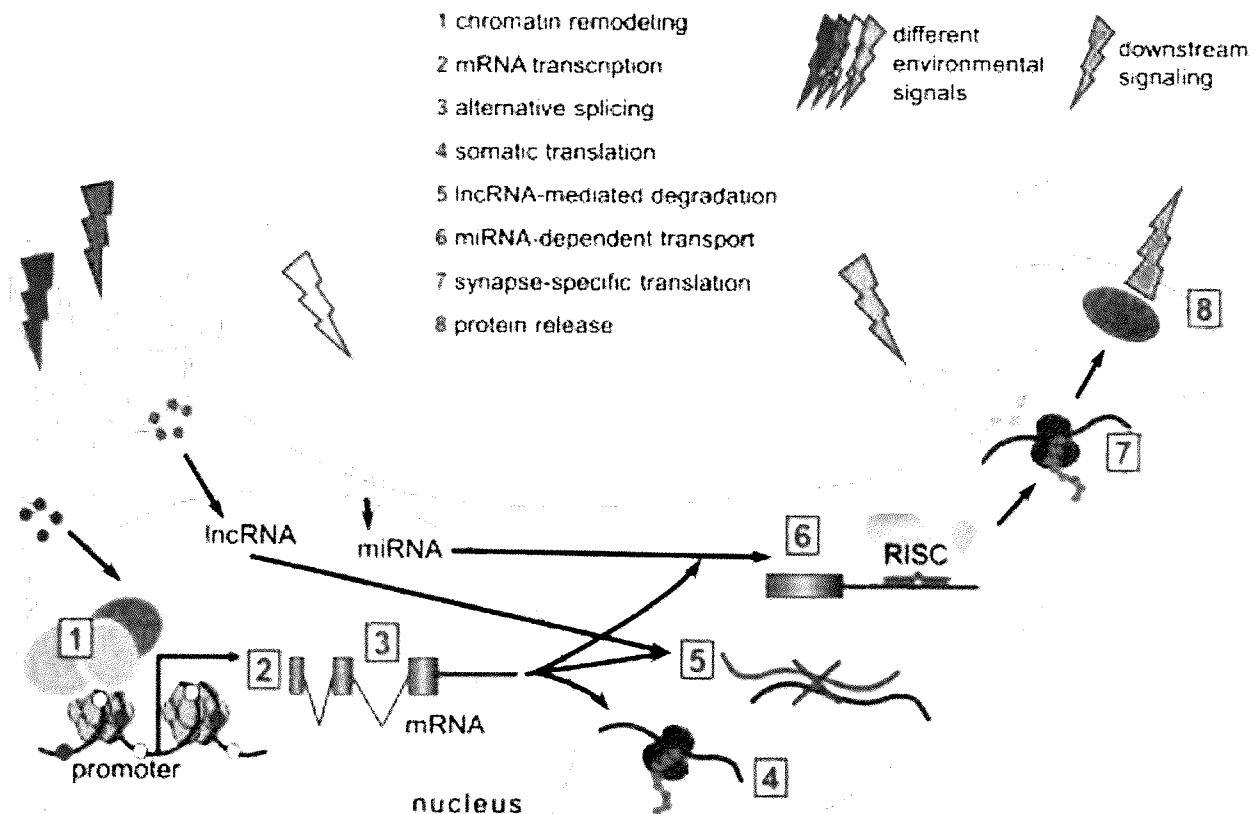
Controlul epigenetic la nivelul celular Exemplu: Celula neuronală

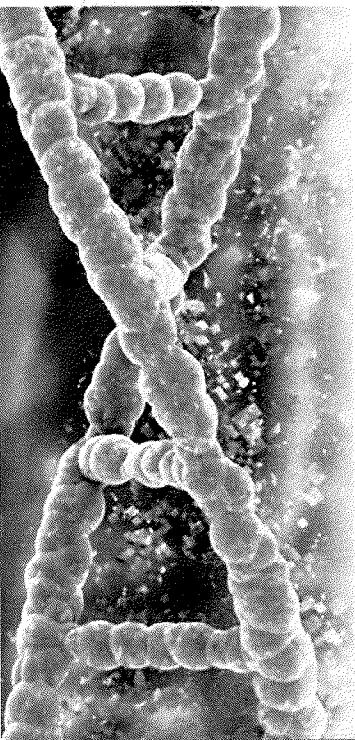


UNIUNEA EUROPEANA



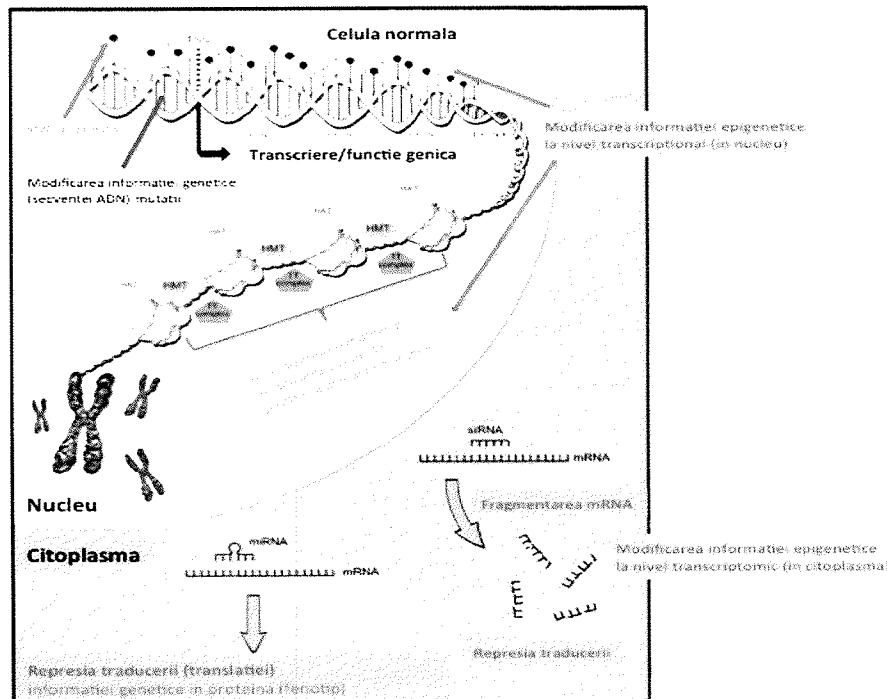
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

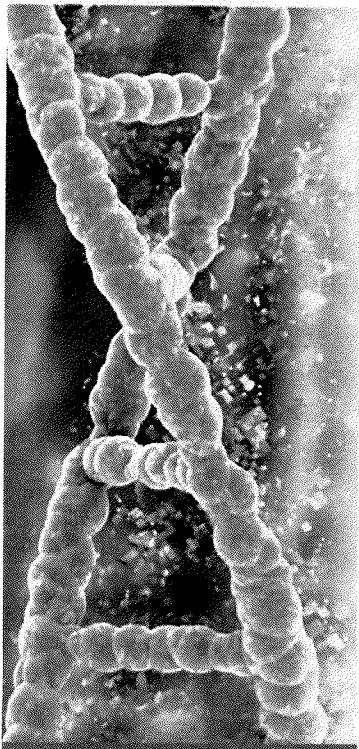




Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Codul epigenetic NUCLEU-CITOPLASMA : markeri epigenetici



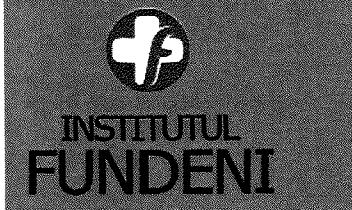
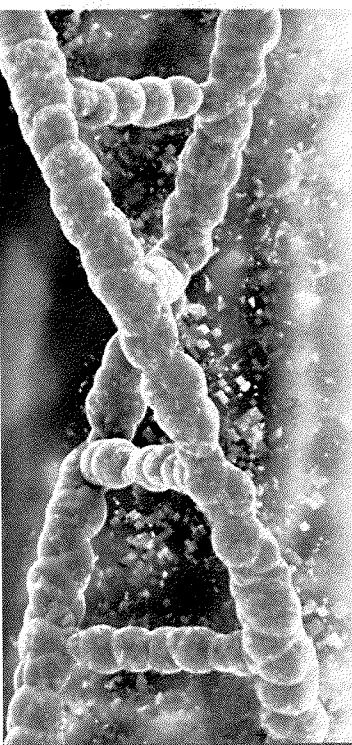


Farmacogenetica/Farmacogenomica/Nutrigenomica

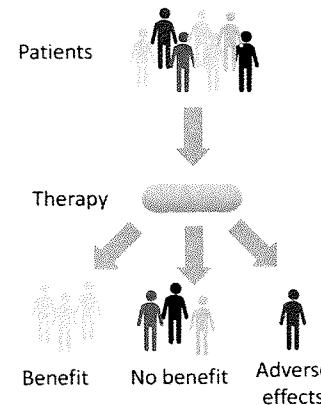
- Abordarea medicinei genomice include evaluarea riscului la boli comune, dar și elaborarea schemelor de predicție și prevenție personalizate, pe baza cunoștințelor de **nutrigenomică și toxicogenomică**.
- Nu în ultimul rând, medicina genomică se poate implica, în prezent, în identificarea **țintelor moleculare pentru a fi utilizate în dezvoltarea de biomarkeri de diagnostic timpuriu și de proiectare a unor noi medicamente**.
- Cursurile de specializare în medicina de precizie se aliniază programelor de educație din întreaga lume. Au fost dezvoltate astfel strategii prioritare pentru înțelegerea genomicii în clinică, în special pentru aplicarea acesteia în cancer și boli comune. Programele naționale din SUA, Marea Britanie și China sunt deja în desfășurare din anii 2015, 2016.
- În urma abordării farmacogenomicii s-au constatat deja **efectele benefice în creșterea eficienței terapeutice**. Domeniile vizate au fost, în primul rând: cardilogia, oncologia, unele neli monogenice (precum fibroza chistică, hipercolesterolemia familială) și diverse boli comune ale adultului.

Project cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

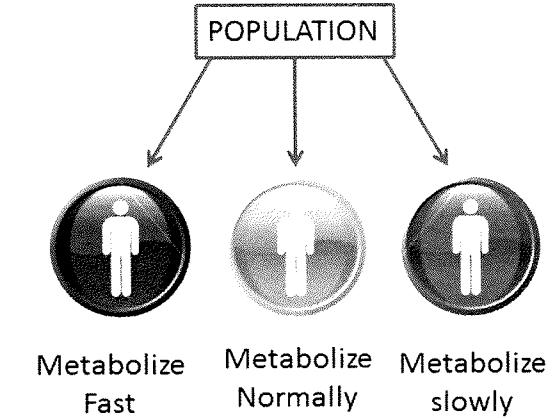
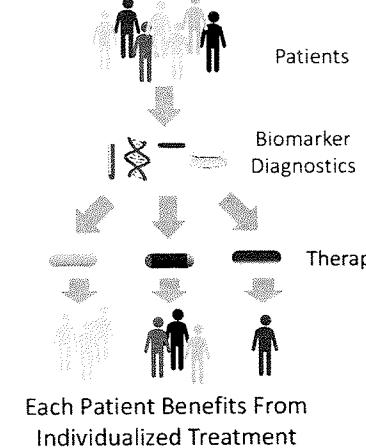
Farmacogenetica/Farmacogenomica/Nutrigenomica

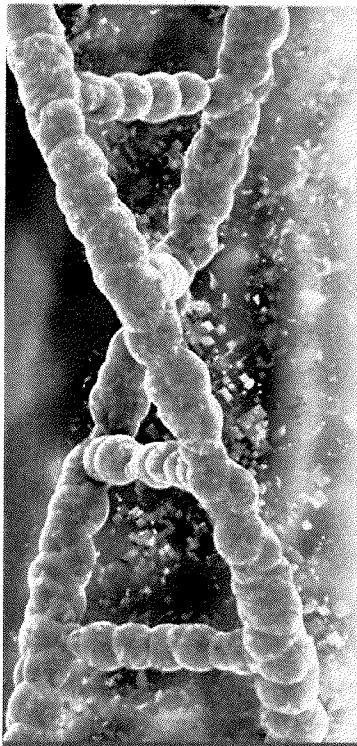


Without Personalized Medicine:
Some Benefit, Some Do Not



With Personalized Medicine:
Each Patient Receives the Right Medicine For Them





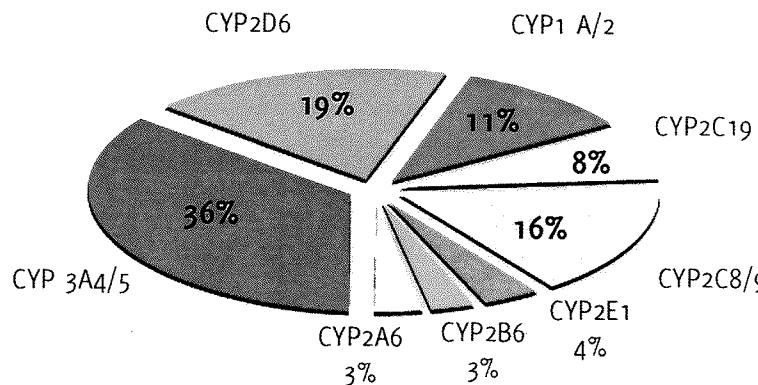

**INSTITUTUL
FUDENI**



Instrumente Structurale
2014-2020

Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 - 2020

Farmacogenetica/Farmacogenomica/Nutrigenomica



DNA
Profiling



Good responders

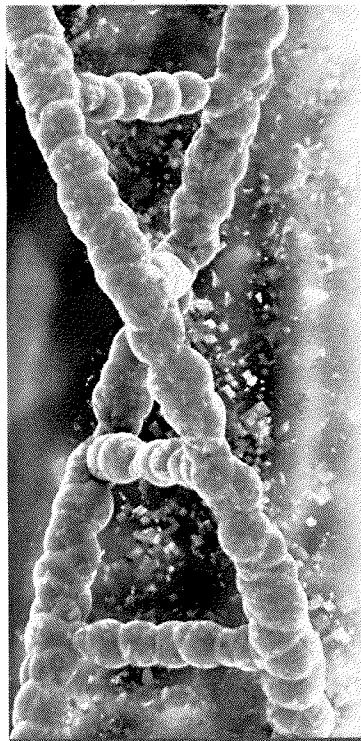


No Responders



Bad side effects

Referinta : Curs Epigenetica: Universitatea din Bucuresti/Dept Genetica: Prof Dr Natalia Cucu




INSTITUTUL
FUNDENI



UNIUNEA EUROPEANA



POCU



Instrumente Structurale
2014-2020

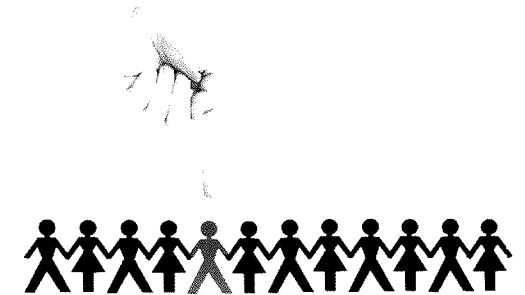
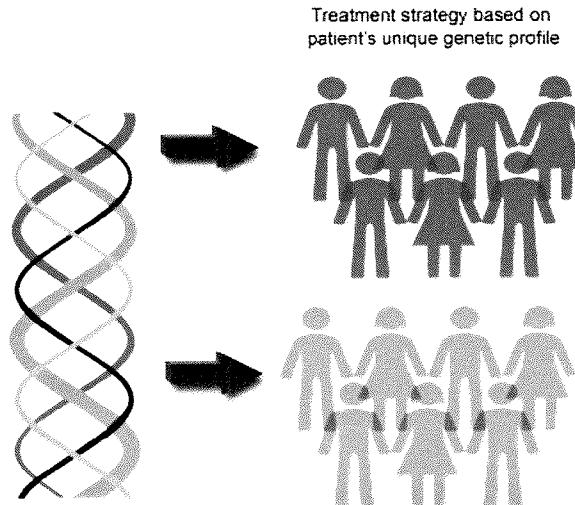
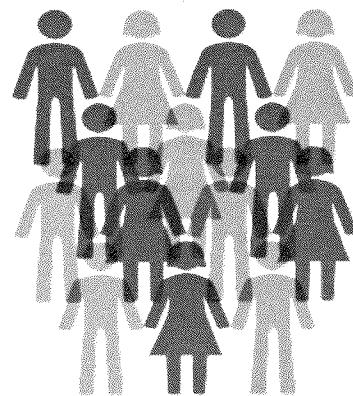
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Teste genetice oncologice-Terapie tintita

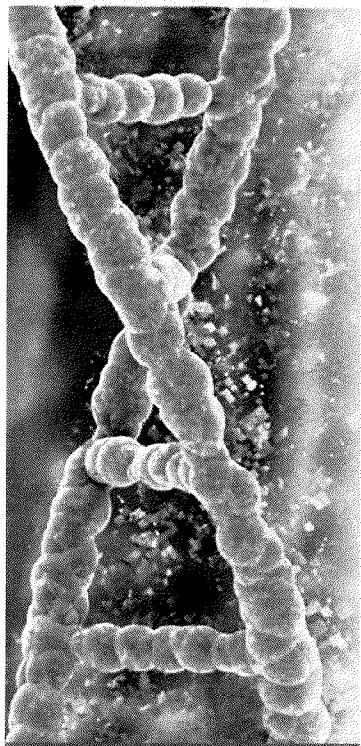
Companion genetic tests

Traditional "One Size Fits All" Approach

All patients with the same diagnosis receive the same treatment



Referinta : Curs Epigenetica: Universitatea din Bucuresti/Dept Genetica: Prof Dr Natalia Cucu



UNIUNEA EUROPEANA



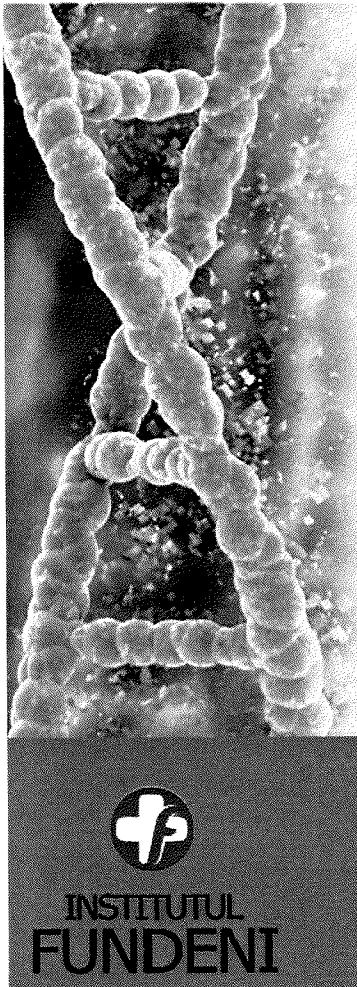
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

NUTRIȚIA DE PRECIZIE

Utilizarea nutrigeneticii în definirea nevoilor nutriționale individualizate

Introducere în nutrigenetică și nutrigenomică

- Procesul științific de determinare a nevoilor nutritive
- Genele și nutriția: mituri și realitate
- Elementele nutrigeneticii și nutrigenomicii
 - "Tintele genetice actionabile" versus "Tintele genetice non-actionabile"



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

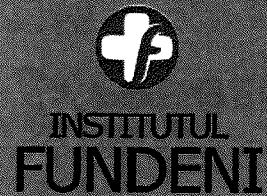
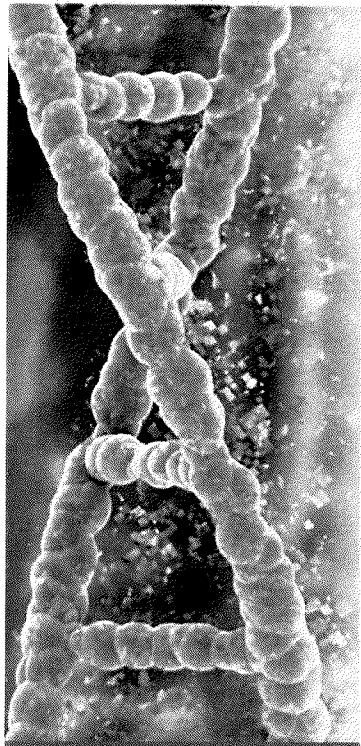
Ce este și ce nu este Nutrigenetica

✓ Ce este:

- Set de metode/mijloace → personalizarea nutriției în funcție de caracteristicile genetice individuale.
- Identifică variații genetice ca markeri (variabile) → recomandări nutriționale
- Sta la baza elaborării managementului nutrițional al unor stări fiziologice/patologice & preventie
- Utilă în stabilirea riscului apariției unor dereglații metabolice/stări patologice

✓ Ce NU este:

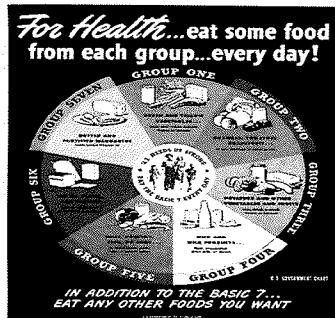
- Un mijloc de diagnostic
- Înlocuitor al unor tratamente medicamentoase bine stabilite (rare excepții – ex. LOVAZA (omega-3) – a devenit un medicament aprobat de FDA!)



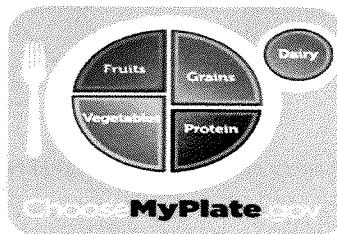
UNIUNEA EUROPEANA



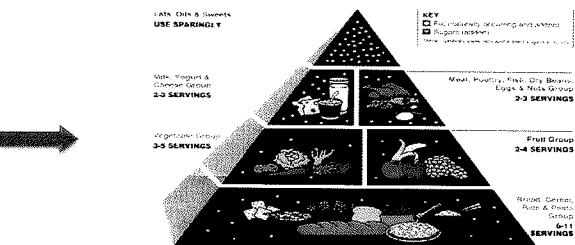
Project cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operational CAPITAL UMAN 2014 – 2020



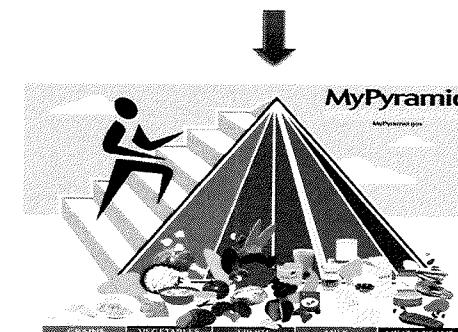
1943-1956: The USDA's "Basic 7" food groups.



2011: MyPlate nutrition guide.



1992: The USDA's food guide pyramid.

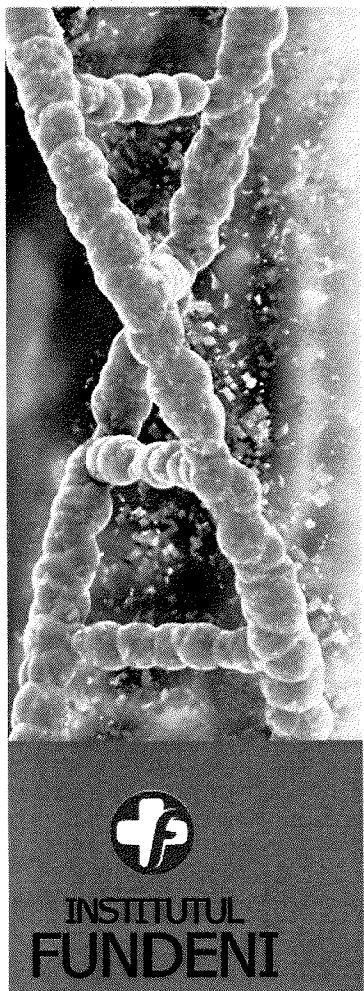


2005: MyPyramid, the revised USDA food pyramid.

NUTRITIA DE PRECIZIE/PERSONALIZATA

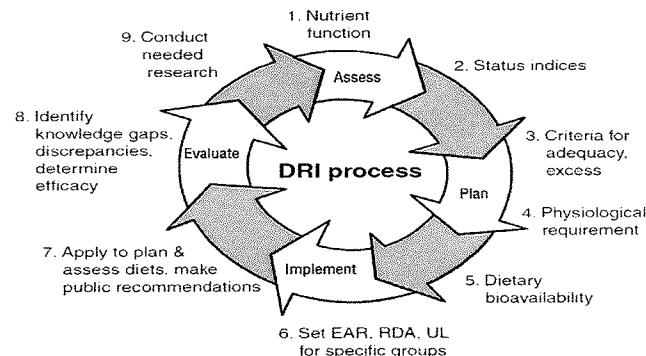
215-2016-2017

Referinta : Curs Nutrigenetica – Nutritia de Precizie/ Mihai Niculescu, curs SRGM-OBBCSSR Bucuresti 2017/2018/2019



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 - 2020

Procesul științific de determinare

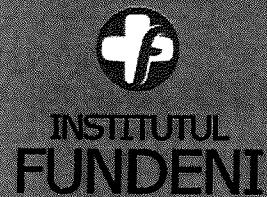
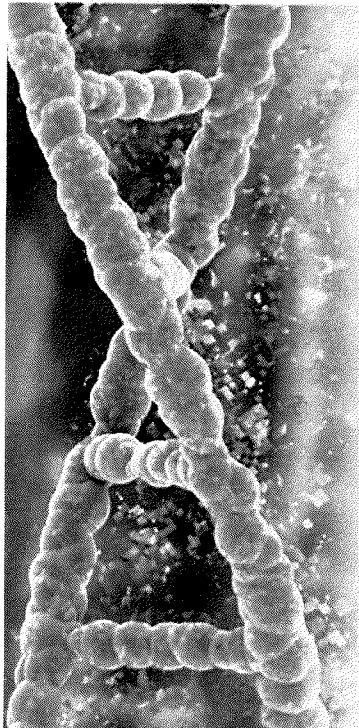
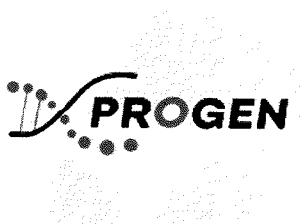


Dietary Reference Intakes Research Synthesis: Workshop Summary
Carol West Suitor and Linda D. Meyers, Rapporteurs,
Planning Committee on Dietary Reference Intakes Research Synthesis

Criterii (FAO/WHO)

Pentru fiecare nutrient

- Funcție (rol)
- Metabolism (RDA/PRI)
- Aport real (UL)
- Cerinte fiziolegice
- Toxicitate
- Aport minim
- Safe intake levels
- Upper intake levels



Instrumente Structurale
2014-2020

Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Studii genetice, epigenetice, epidemiologice

Abstract

Objectives *MTHFR C677T* and *A1298C* have been associated with the risk of preeclampsia (PE), but with conflicting results. We performed this meta-analysis to derive a more precise estimation of the association between *MTHFR* polymorphisms and PE.

Study design An electronic search of PubMed and Chinese Biomedicine database was conducted to select studies for meta-analysis. 54 case controlled studies containing *MTHFR C677T* and *A1298C* gene polymorphisms were chosen, and odds ratio (OR) with confidence interval (CI) was used to assess the strength of this association.

Result These studies evaluated 7398 cases and 11230 controls for *MTHFR C677T*. The overall results suggested that *MTHFR C677T* was associated with the risk of PE: (T vs. C): OR = 1.157, 95 % CI: 1.057-1.266, $p < 0.002$; TT vs. CT: OR = 1.165, 95 % CI: 1.049-1.293, $p < 0.004$; TT vs. CT + CC: OR = 1.371, 95 % CI: 1.153-1.63, $p < 0.001$). We also evaluated 1103 cases and 988 controls for *MTHFR A1298C* but could not demonstrate an increased risk of PE for this polymorphism ($p = 0.667$). A symmetric funnel plot, the Egger's test ($p = 0.819$) suggested a lack of publication bias.

Conclusion This meta-analysis supports the idea that *MTHFR C677T* genotype is associated with increased risk for PE, especially in the case of Asians and Caucasians.

Keywords *MTHFR C677T* · *A1298C* · Polymorphism · Preeclampsia · Meta-analysis

Introduction

Preeclampsia (PE), characterized by the presence of a triad of signs involving high blood pressure, proteinuria and oedema after the 20th week of pregnancy, is one of the commonest and most serious complications of pregnancy [1]. This disease can progress to eclampsia (characterized by seizures as a sign of affection of the cerebral vessels), HELLP syndrome (hemolysis, elevated liver enzyme, low platelets) or disseminated intravascular coagulation. PE affects about 5–8 % of pregnancies, and it is still responsible for 10 to 15 % of maternal mortality [2, 3]. Although preeclampsia remains a significant source of maternal and

J Negat Reprod Off (2015) 12:791–805
DOI 10.3907/jnro.15.014648.8

GENETICS

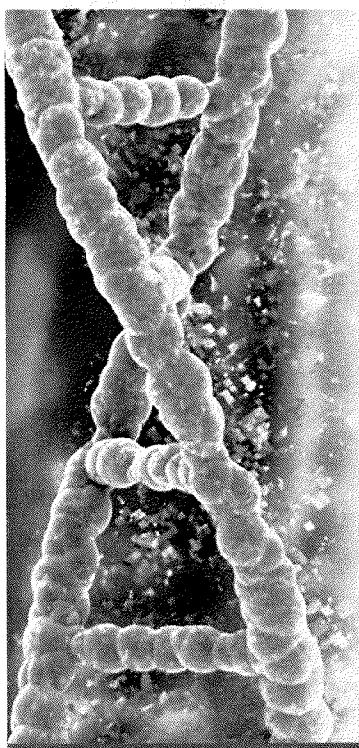
Folate metabolism gene polymorphisms *MTHFR C677T* and *A1298C* and risk for preeclampsia: a meta-analysis

Xiaoming Wu · Kunxian Yang · Xiaodan Tang ·
Yulan Su · Ruoyu Zhou · Jing Liu · Ying Fan ·
Wenru Tang

Received: 6 September 2014 / Accepted: 11 December 2014 / Published online: 13 March 2015
© Springer Science+Business Media New York 2015

REALITATE

Exemple: Folatii/Colina/Betaina




INSTITUTUL
FUNDENI



UNIUNEA EUROPEANA



POCU



Instrumente Structurale
2014-2020

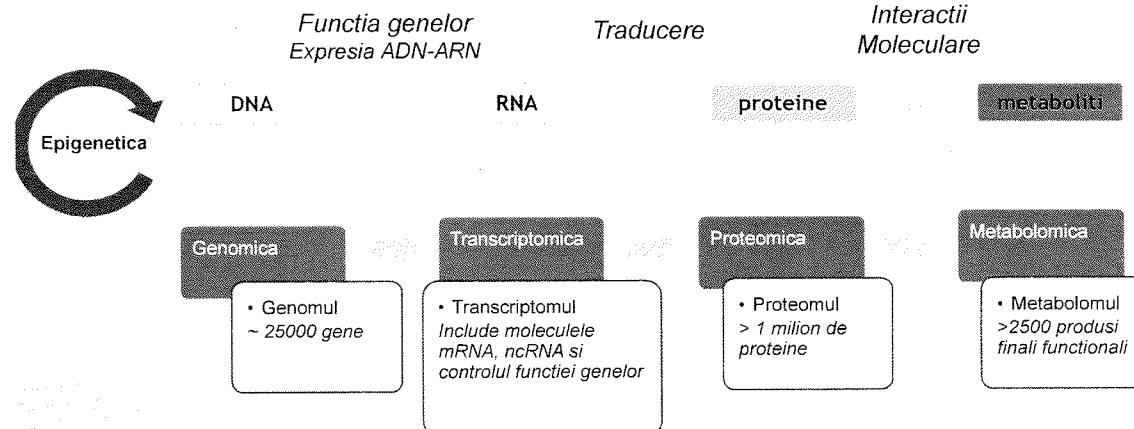
Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 - 2020

Elementele nutrigeneticii și nutrigenomicii. "Tinte actionable" vs "tinte non-actionabile"

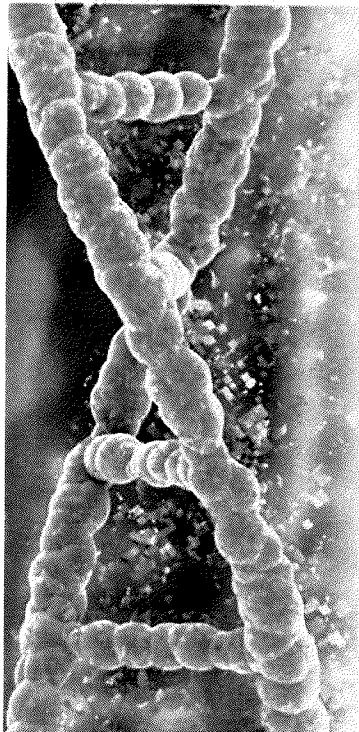
Genotip (ADN/ARN)

Fenotip (Proteine, Metaboliti)

De la DOGMA centrala a Geneticii clasice, la genetica modernă: funcțională



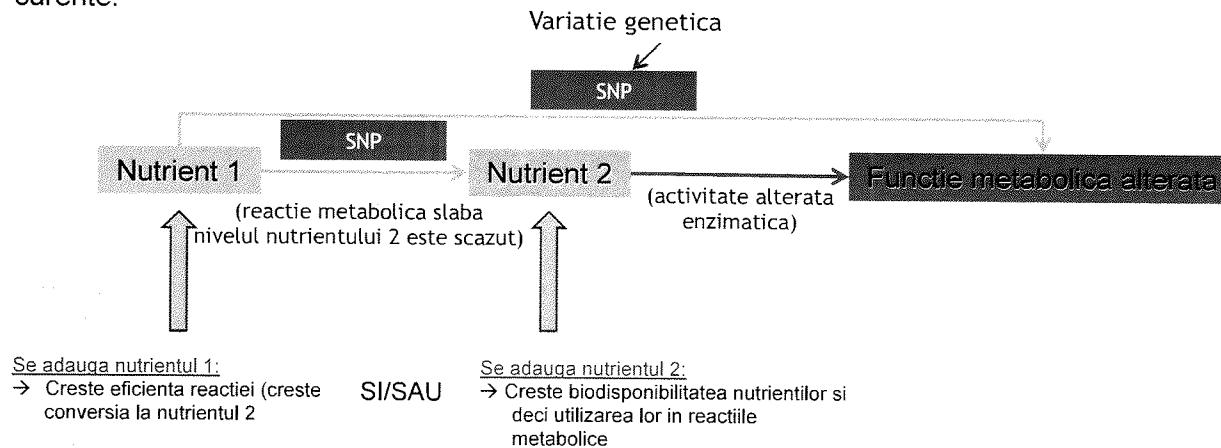
Referinta : Curs Nutrigenetica – Nutritia de Precizie/ Mihai Niculescu, curs SRGM- OBCCSSR Bucuresti 2017/2018/2019



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020
Elemente aditionale de particularizare/personalizare...de precizie a testelor genetice

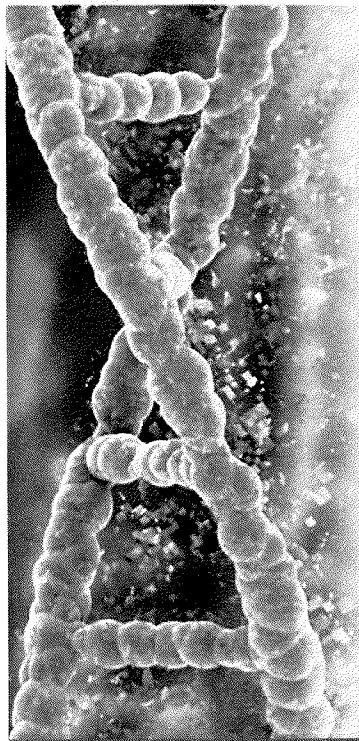
✓ Actionabilele din testelete nutrigenetice de precizie

Asociere Genotip → Fenotip asupra căreia se poate acționa conform cu cunoștiințele științifice curente.



Exemplu:

Gena *MTHFR*- metilentetrahidrofolat reductaza
Gena *DHFR*- dihidrofolat reductaza

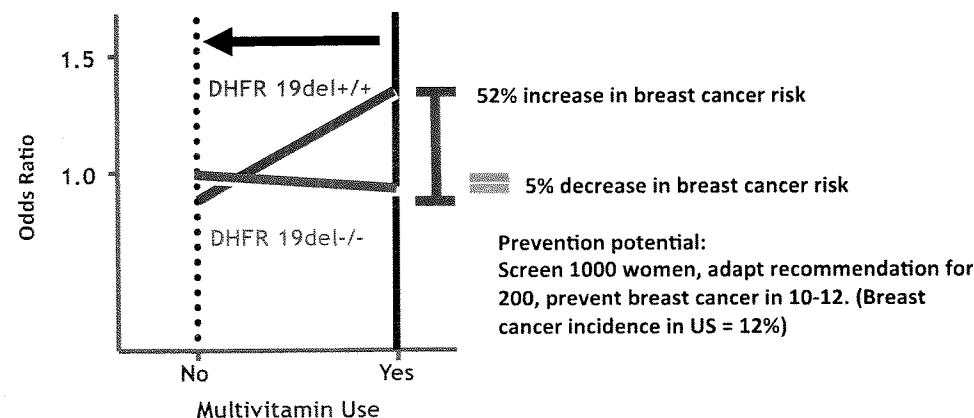


Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Elemente aditionale de particularizare/personalizare...de precizie a testelor genetice

Exemplu: un simplu sfat pentru femeile cu genotipul *DHFR 19del +/+*:
Daca sunt sanatoase si NU sunt gravide, sa NU consume suplimente cu ACID FOLIC

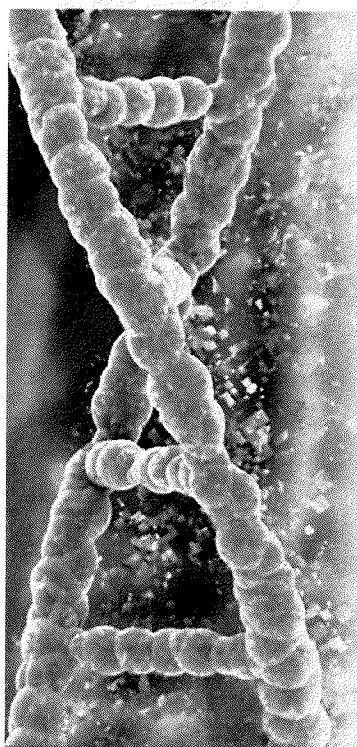
Acidul folic- forma sintetica a folatilor naturali, activi (folati metilati)
O Forma sintetica mai apropiata de structura si functia folatilor naturali metilati: MTHF- metilentetrahidrofolatul (Merck)...abordata in prezent in programele de suplimente



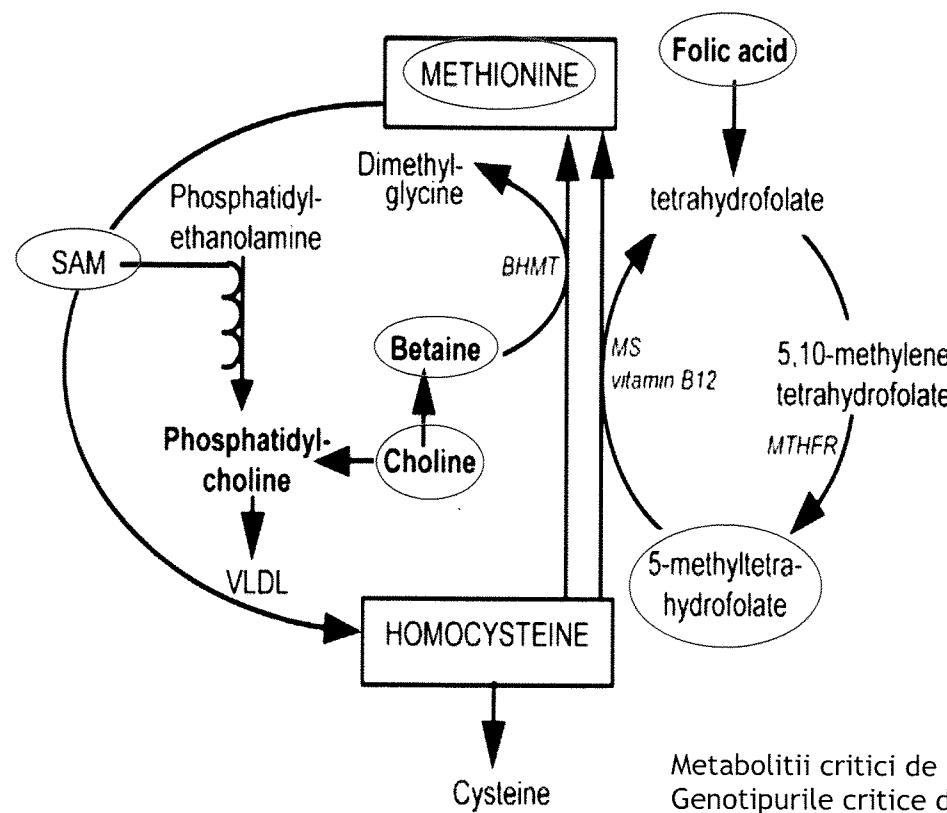
Courtesy of Dr. Martin Kohlmeier

Gena dihidrofolat reductaza

Based on data from Xu et al. AJCN 2007;85:1098-1102

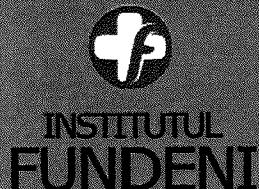
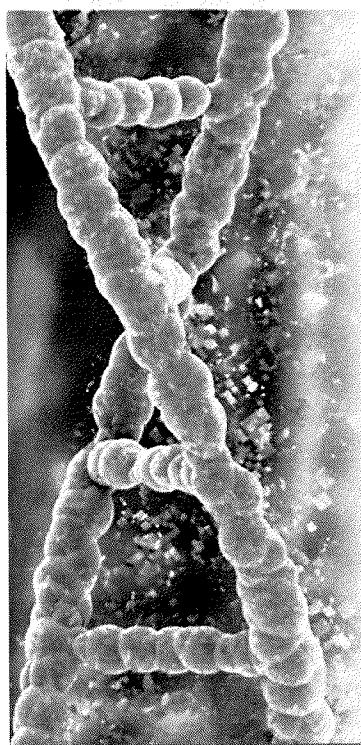


Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020



Metabolismul compusilor purtatori de grupe metil

Metabolitii critici de urmarit
Genotipurile critice de urmarit



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Elemente aditionale de particularizare/personalizare...de precizie a testelor genetice

Table 3
Associations of Choline-Metabolizing Gene SNPs and Risk of Nonsyndromic Tooth Agenesis

Gene	rs ID	Genotype	Cases (frequency)	Controls (frequency)	OR (95% CI)	p value ^a	p _{corr}
RHMT1	rs7356530	AA	61 (0.40)	56 (0.31)	Referent		
		AG	66 (0.43)	83 (0.51)	0.651 (0.4028-1.954)	0.0800	
		GG	28 (0.17)	35 (0.18)	0.723 (0.3855-1.357)	0.3121	
		AG + GG	92 (0.60)	126 (0.69)	0.670 (0.4267-1.053)	0.0848	
		Minor allele frequency	0.39	0.44			
		AA	67 (0.44)	56 (0.31)	Referent		
RHMT1	rs2733880	GG	66 (0.44)	71 (0.39)	1.332 (0.8425-2.106)	0.2394	
		AG	66 (0.44)	15 (0.08)	1.719 (0.8087-3.651)	0.1554	
		AA	18 (0.12)	34 (0.19)	0.561 (0.3073-1.059)	0.1279	
		AG + AA	84 (0.56)	56 (0.31)	1.400 (0.9073-2.159)	0.1279	
		Minor allele frequency	0.34	0.28			
		TT	61 (0.40)	55 (0.30)	Referent		
RHMT2	rs6526264	AA	89 (0.49)	84 (0.51)	0.982 (0.4888-1.889)	0.0568	
		AG	24 (0.15)	34 (0.19)	0.636 (0.3365-1.204)	0.1633	
		AA + AG	93 (0.60)	128 (0.70)	0.655 (0.4169-1.026)	0.0659	
		Minor allele frequency	0.38	0.44			
		GG	56 (0.37)	56 (0.31)	Referent		
		GT	20 (0.14)	58 (0.49)	0.838 (0.5175-1.357)	0.4723	
CHD1H	rs625879	TT	27 (0.17)	33 (0.18)	0.882 (0.4607-1.613)	0.6421	
		GT	47 (0.31)	121 (0.67)	0.845 (0.5370-1.326)	0.4846	
		GG	51 (0.34)	51 (0.31)	Referent		
		AG	83 (0.54)	76 (0.43)	0.638 (0.4093-0.994)	0.0465	0.9765
		AA	63 (0.49)	94 (0.51)	0.674 (0.2851-1.785)	0.4781	
		AG + AA	72 (0.46)	106 (0.51)	0.646 (0.4207-0.993)	0.0461	0.9681
CHD1H	rs7625247	Minor allele frequency	0.26	0.32			
		GG	68 (0.44)	58 (0.32)	Referent		
		GT	64 (0.41)	56 (0.34)	0.551 (0.3443-0.863)	0.0128	0.2688
		TT	21 (0.14)	26 (0.14)	0.551 (0.3443-0.863)	0.0128	0.2688
		GT + TT	87 (0.56)	124 (0.68)	0.598 (0.3835-0.934)	0.0232	0.4872
		Minor allele frequency	0.35	0.41			
CHD1H	rs6445866	Minor allele frequency	0.35	0.41			
		TT	88 (0.57)	74 (0.41)	Referent		
		CT	48 (0.31)	97 (0.52)	0.334 (0.2724-0.691)	0.0004	0.0084
		CC	18 (0.12)	15 (0.07)	1.164 (0.5394-2.634)	0.7041	
		CT + CC	96 (0.43)	106 (0.50)	0.524 (0.3386-0.810)	0.0035	0.0735
		Minor allele frequency	0.27	0.35			

Gena aditional abordata
Colin dehidrogenaza

Exemplu:
Evaluarea Riscului de agenezie dentara pentru copil

© 2011 Wiley-Liss, Inc.

Birth Defects Research (Part A) 91:169–176 (2011)

Polymorphisms in CHD1H Gene and the Risk of Tooth Agenesis

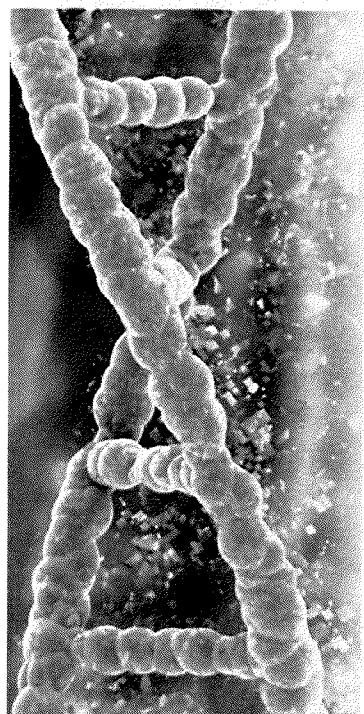
Adrianna Moslowska,^{1,*} Barbara Biedziak,² Izabella Dunnit-Wilczynska,² Anna Komorowska,³ and Paweł P. Jagodzinski²

¹Department of Biochemistry and Molecular Biology, Poznań University of Medical Sciences, Poznań, Poland

²Department of Low Orthodontics, Medical University of Lublin, Lublin, Poland

Received 5 October 2010; Revised 14 November 2010; Accepted 16 November 2010

Referinta : Curs Nutrigenetica – Nutritia de Precizie/ Mihai Niculescu, curs SRGM – OBBCSSR Bucuresti 2017/2018/2019



Proiect cofinanțat de Fondul Social European și din bugetul Guvernului CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Elemente aditionale de particularizare/personalizare...de precizie a testelor genetice

Table 3
Associations of Choline-Metabolizing Gene SNPs and Risk of Nonsyndromic Tooth Agenesis (continued)

Gene	rs no.	Genotype	Cases (frequency)	Controls (frequency)	OR (95% CI)	p value ^a	p _{adj}
<i>PEMT</i>	rs4646406	TT	40 (0.26)	57 (0.32)	Referent		
		AT	82 (0.54)	85 (0.47)	1.375 (0.8292-2.279)	0.2166	
		AA	30 (0.20)	38 (0.21)	1.125 (0.6011-2.105)	0.7125	
		AT + AA	112 (0.74)	123 (0.68)	1.298 (0.8040-2.094)	0.2855	
		Minor allele frequency	0.47	0.45			
<i>PLD2</i>	rs3764897	CC	111 (0.74)	123 (0.68)	Referent		
		CT	38 (0.25)	53 (0.29)	0.794 (0.4870-1.296)	0.3564	
		TT	2 (0.01)	6 (0.03)	0.369 (0.0730-1.869)	0.2896 ^c	
		CT + TT	40 (0.26)	59 (0.32)	0.751 (0.4665-1.210)	0.2387	
		Minor allele frequency	0.14	0.18			

Significant results are highlighted in bold font.

SNP, single-nucleotide polymorphism; OR, odds ratio; CI, confidence interval.

^aChi-square analysis.

^bFisher exact test.

Table 5
Results of Gene-Gene Interactions Analyzed by MDR Method

Genes and rs numbers	Testing balanced accuracy ^a	Cross validation consistency ^b	p value ^c
<i>CHDH</i> _rs6445606	0.5987	10 / 10	0.0970
<i>CHDH</i> _rs6445606, <i>PLD2</i> _rs3764897	0.6605	10 / 10	0.0040
<i>BHMT</i> _rs3733890, <i>CHDH</i> _rs6445606, <i>PEMT</i> _rs4244593	0.5384	4 / 10	0.5210
<i>T CN2</i> _rs1801198, <i>BHMT</i> _rs3733890, <i>CHDH</i> _rs6445606, <i>PEMT</i> _rs4244593	0.5429	3 / 10	0.4830

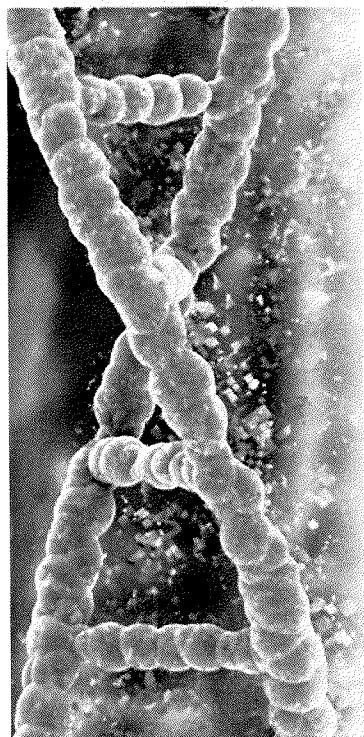
Significant results are highlighted in bold font.

MDR, multifactor dimensionality reduction.

^aTesting balanced accuracy is the accuracy of classification of cases and controls in the testing dataset calculated as (Sensitivity + Specificity)/2.

^bCross validation consistency is the number of times the model was selected as the best model after 10-fold cross-validation runs.

^cSignificance of accuracy (empiric p value based on 1000 permutations).



Genetic Adaptation of Fatty-Acid Metabolism: A Human-Specific Haplotype Increasing the Biosynthesis of Long-Chain Omega-3 and Omega-6 Fatty Acids

Adam Ameur,¹ Stefan Brothø,¹ Åsa Johansson,¹ Ghazal Zahedi,¹ Wilmar Igl,¹ Anna C.V. Johansson,¹ Manuel A. Rivas,² Mark J. Daly,³ Gerd Schnitzler,³ Andrew A. Hicks,³ Thomas Meitinger,³ Lars Jeuk,³ Cornelia van Dijken,³ Ben Oostra,³ Peter P. Franstaller,^{3,7,8} Igor Rudan,^{9,11} Alan E. Wright,¹² James E. Wilson,¹³ Harry Campbell,¹⁴ and Ulf Gyllensten^{1,5}

Referinta : Curs Nutrigenetica – Nutritia de Precizie/ Mihai Niculescu, curs SRGM – OBBCSSR Bucuresti 2017/2018/2019

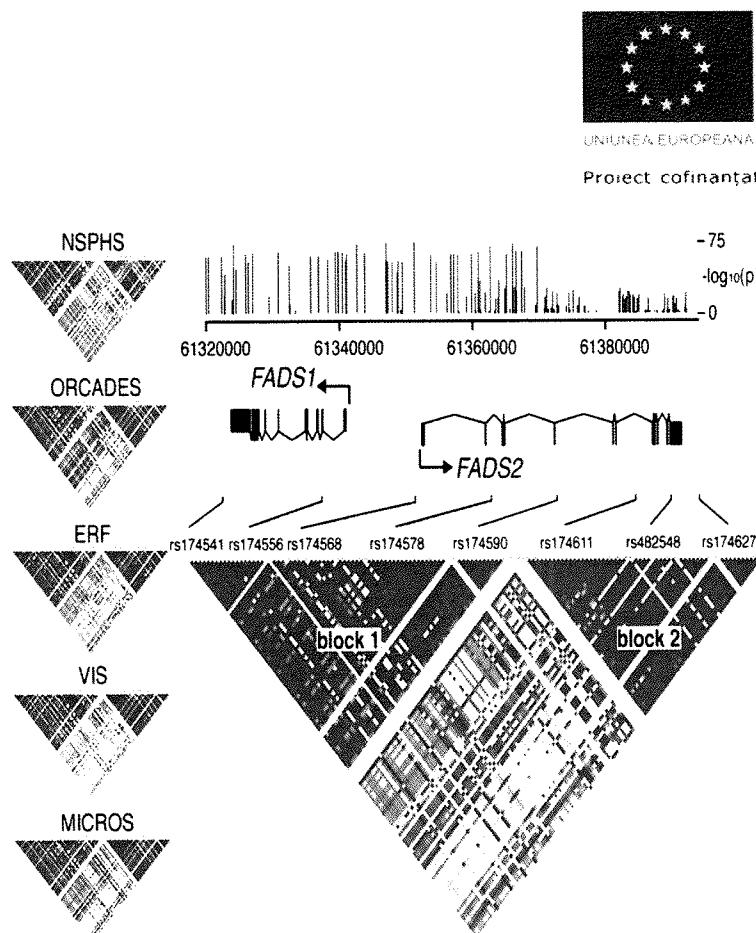


Figure 1. LD Pattern in the FADS Region

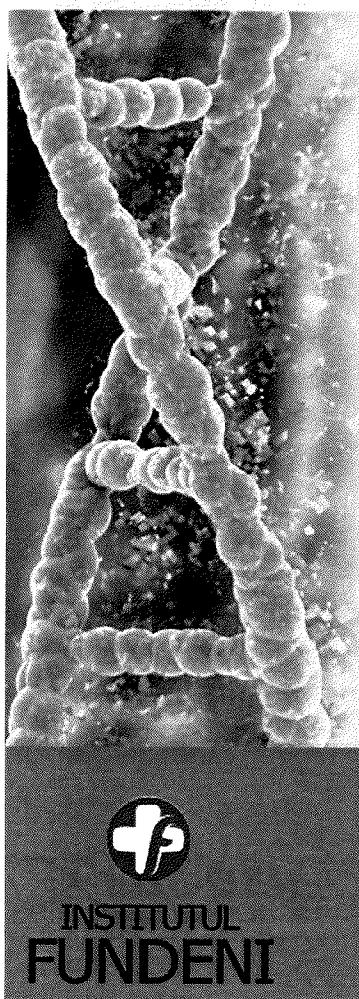
LD display of the five population cohorts from Sweden (NSPHS), Scotland (ORCADES), The Netherlands (ERF), Croatia (VIS), and Italy (MICROS) (left) and of all individuals combined (bottom right). Color schemes in all LD maps are based on the standard (D'/LOD) option in the Haploview software. The genomic coordinates on chromosome 11 (hg18) are shown at the top right, and the locations of eight SNPs are drawn out as positional guides. The vertical black bars show p values for each individual SNP; p values range from 1 to 10^{-75} and represent the association with the lipid PC 36:4. See Table S1 for a complete list of p values for all SNPs in the region.

Results

Two Common FADS Haplotypes

Gene care controleaza metabolismul lipidic

The American Journal of Human Genetics 90, 809–820, May 4, 2012 809



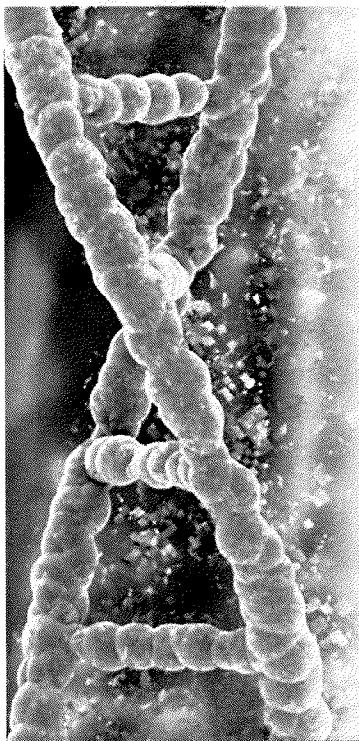
UNIUNEA EUROPEANA



Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Beneficii/Perspective

- Deși există o apreciere unanimă a beneficiilor pe care medicina de precizie le poate aduce în viitor prin medicina genomică, durata de implementare și de aplicare cu succes a acesteia depinde de factorii educaționali. Handicapul conceptual din domeniul biomedicinei, abordarea interdisciplinară precară și ritmul de specializare sunt elemente decisive în acest sens.
- Se impun deci cursuri de informare privind noile cunoștințe în medicina genomică. Aceasta implică dezvoltarea de programe de educație adecvată, continuă și actualizarea permanentă a cunoștințelor. **Lucrătorii în domeniul biomedicinei trebuie să fie capabili să înțeleagă și să aplice actul medical, serviciul medical prin intermediul medicinei genomice.** Pentru ca medicina genomică să fie folosită cu succes se cer cunoștințe, aptitudini și atitudini noi.
- Ca atare, se impune schimbarea concepției de atitudinii a medicilor și a specialistilor în biomedicină. **Bariera incertitudinii, pe care medicina de precizie și-a asumat să o îndepărteze, cere depășirea scepticismului față de medicina genomică și deci capătarea convingerii că medicina genomică permite o îngrijire mai bună a pacienților, dar și prevenția bolilor.**



 INSTITUTUL
FUNDENI



UNIUNEA EUROPEANA



POCU

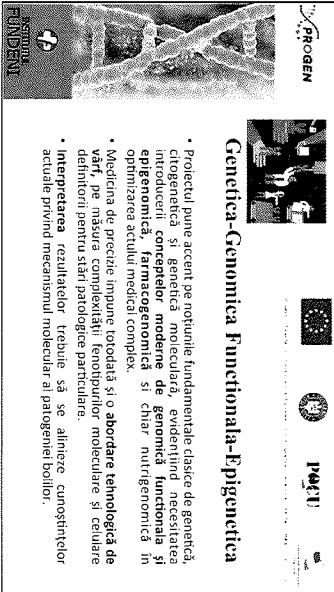
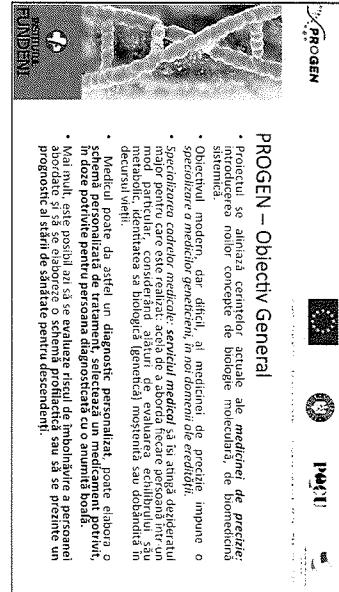
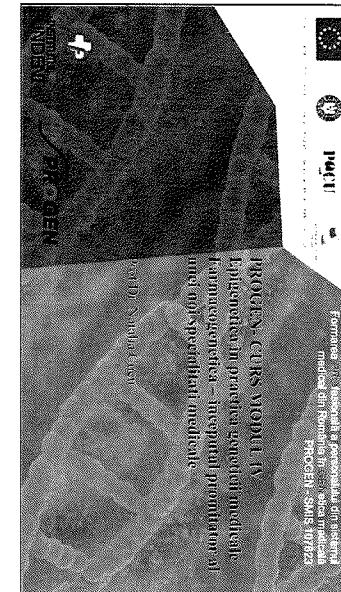


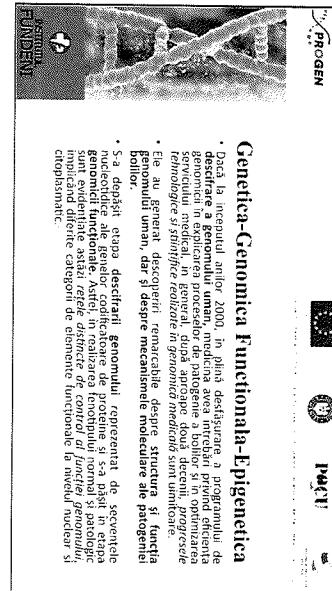
Instrumente Structurale
2014-2020

Proiect cofinanțat din Fondul Social European prin Programul Operațional CAPITAL UMAN 2014 – 2020

Adresabilitate

- Cursurile au o **ADRESABILITATE** și o **UTILITATE** extrem de largă. Ele se adresează specialiștilor din domeniul medicinei: în special al specialităților cu patologie genetică (pediatrie, obstetrică, neuro-psihiatrie, endocrinologie, laborator), dar și medicilor specialiști din numeroase alte domenii (spre exemplu, farmaceutica).
- Evident, cursurile PROGEN se vor constitui într-o specializare, un upgrade pentru cadrele medicale din toate domeniile. Aceștia au posibilitatea de a dobândi cunoștințe, aptitudini și atitudini noi necesare folosirii cu succes a genomicii medicale în domeniul lor de specializare.
- Adresabilitatea include un cadru mai larg de specialiști, precum a celor din biologie (în biologie moleculară, chimie, biofizică, și biotehnologie, chiar bioinformatică) interesați, pe baza colaborărilor interdisciplinare, de genetică umană aplicată în medicină.

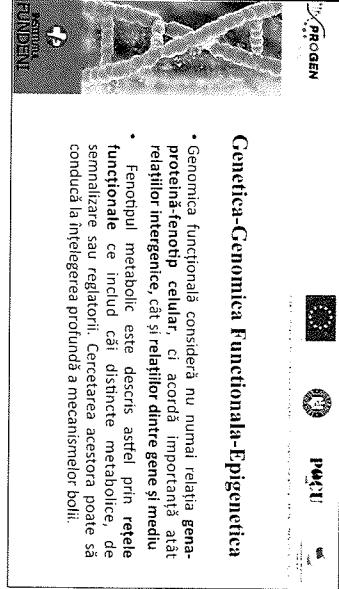




• Comunitatea iudecătorului-Legislativă

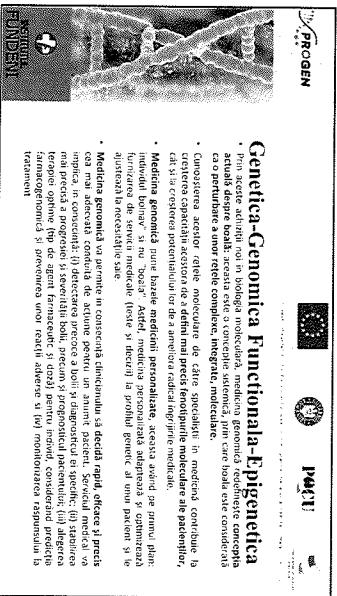
- Ei au generat descreperii remarcabile structură și funcția proteinelor umane, dar și despre mecanismele moleculare ale patogenei-
tului.

În ceea ce privește studiul descreperii genetice reprezentat de sevicioanele genetice, este de menționat că în ceea ce privește genomul funcțional, există în realitate trei tipuri de variații care sunt evidențiate astăzi: *retele distante de control* (de funcție genomice), *mecanisme de control local* și *modificări epigenetice*.



Genetic-Genealogical Functuational-Epigeneticca

- Genomica funcțională consideră nu numai relația genetă-proteină, ci și relații între proteină-fenotip celular, cît și relații dintre proteină și mediu.
 - Fenotipul metabolic este descris astfel prin **retele** funcționale ce includ căi distinse metabolice, de semnalare sau regulațori. Cercetarea acestora poate să conducă la înțelegerea profundă a mecanismelor bolii.



Genetica-Genomica Funcională-Epigeneza
Prin aceste activități noi în biologia moleculară, medicina genetică redefineste concepția actuală despre bătrânețea este a convingerii că toate variațiile genetice sunt legături de considerare și nu doar locul și modul de exprimare a genelor.

- că se perturbă a mărire complexe integrare sintetiză. Cu această concreta cunoaștere, autorul căreia mulțumitor de a se spune că în cadrul acestor cunoașteri către noi se defină și se pot aplica principiile de la patru părți. Într-un prim răspuns, medicul trebuie să înceapă să analizeze fiziologic funcțiile de serviciu medical (testă și deciții) la profilul bolnic al unui pacient și să stabilească cea mai nevoie de atenție.

Medicina va primi în consecvență o *decizie* și o *adresă* la prestatia medicală care să aducă beneficii pacientului. Aceasta va depinde de ceea ce este cunoscută și de ceea ce este posibilă. În consecință, va fi stabilite și următoarele etape:

 - ca mulțumitor de la patru părți, medicul va stabili o diagnostică și o proiecție de sănătate boala pe care o prezintă pacientul;
 - ca mulțumitor de la patru părți, medicul va stabili o proiecție de sănătate boala pe care o prezintă pacientul;
 - ca mulțumitor de la patru părți, medicul va stabili o proiecție de sănătate boala pe care o prezintă pacientul;
 - ca mulțumitor de la patru părți, medicul va stabili o proiecție de sănătate boala pe care o prezintă pacientul;

PROGEN

Genetica-Genomica Funcțională-Epigeneica

Formular general MODULU 4: EPIGENETICA - PHARMACOGENETICA, NUTRIGENETICA/

NURBES NOMINIC

- Organizația celula și ADN: acen și structură compozită
- Releșii dintre structura celulei și expresia genelor: Gata de a se structura într-o nucleu nuclear și citozis (factor de creștere și citozine)
- Relașii Genom-Nucleu: plasarea celulelor/organismelor spațiu temporală și funcțională
- Factor epigenetică la nivelul nucleulu (transcripcie): Caudal methionin ADN si Caudal factor epigenetică la nivelul nucleulu (transcripcie) a combinație în relație cu reacția genelor
- Factor epigenetică la nivelul citozinei: Sistemul ADN de interacție
- Genetica devoară și răbdătătoare epigenetice
- Evoluția și procesele de conștiință imprimând genetice și non-genetice
- Metabolizarea

UNDERS

PROGEN

Genetica-Genomica Funcțională-Epigeneica

Factori genetici și epigenetici în dezvoltarea neuronală și balanță neurodegenerativă

Factori genetici și epigenetici în baliță cronică-metabolică

Factori genetici și epigenetici în carcinogenăza

• Nu numai genetica provad către gene și substanțe bioactive din medicamente: humorale/genetice

• Proteogene P-53 și markeri farmaco-genetici pot călători în medicamente

• Asprete aplicative și tehnice:

- Exemple de naștere, evaginare, urzire sau patologii
- Teste genetice asociate cu tratamentul într-un anticancer: receptor strănat și tute
- Nutriție fundamentală din Nutriogenomică și Nutriogenetică: Rolul epigeneticii în elibera gene: mediu
- Tehnici de analiză a expresiei genelor și a ARN: proteine
- Tehnici de analiză a proteinelor: Tehnic de analiză a metodei: histone (CoIP)
- Selecțiere de genetice nouă

PROGEN

Genetica-Genomica Funcțională-Epigeneica

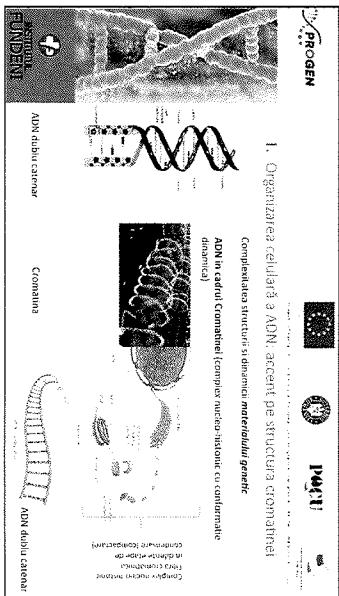
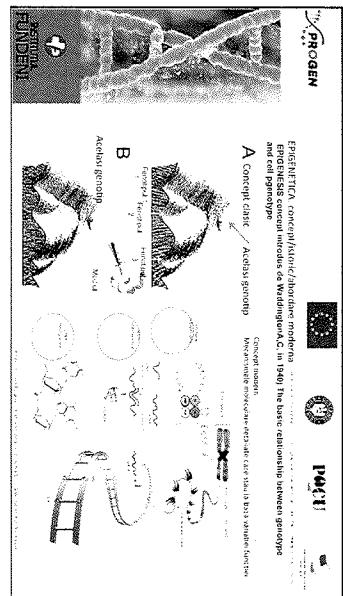
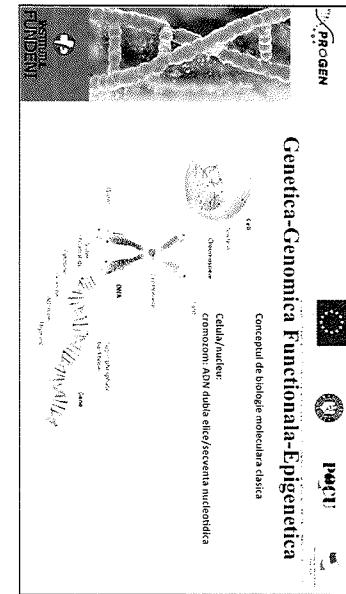
De la Genetica clasica-Focus: Gén e ADN static

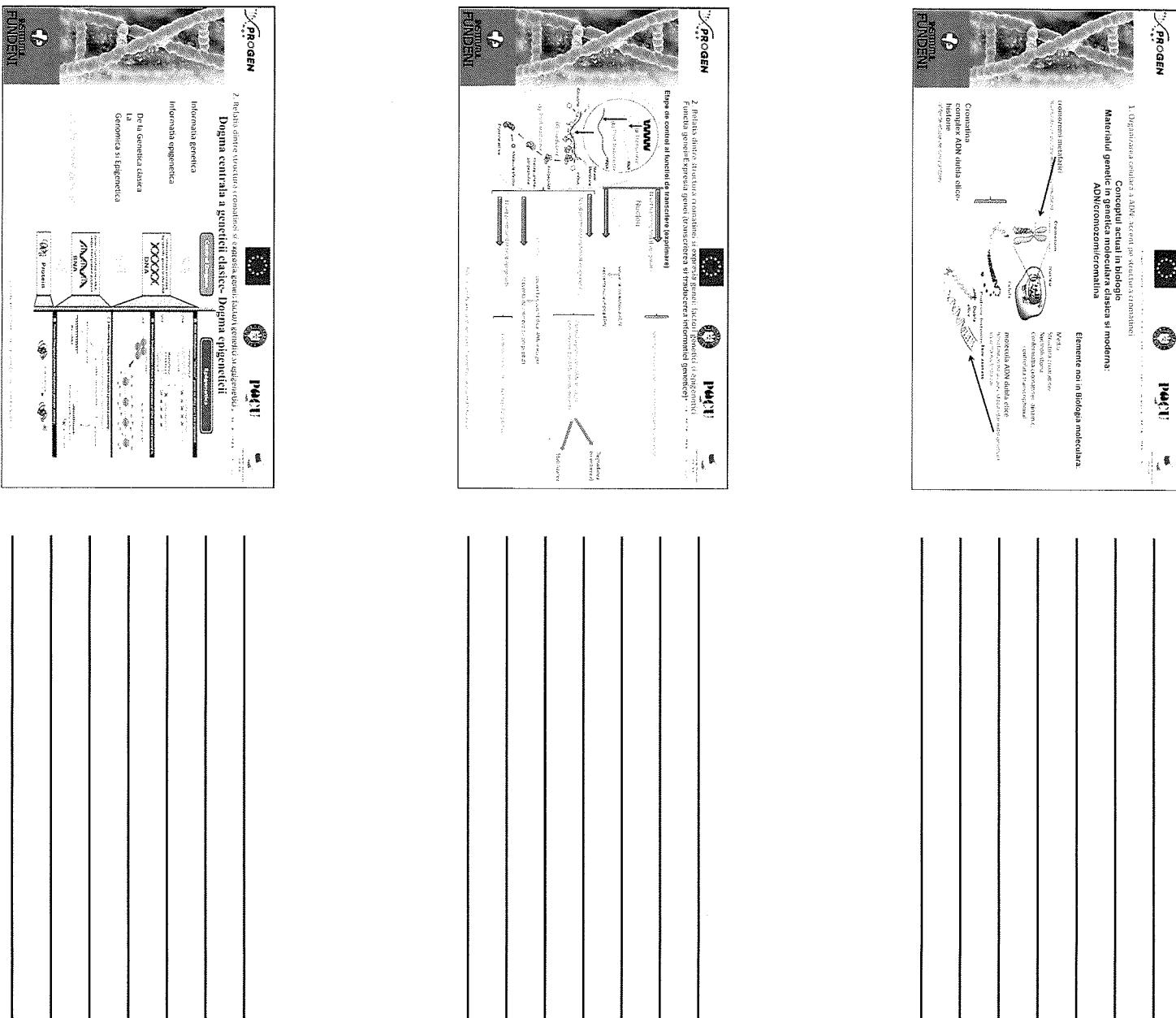
PACTI

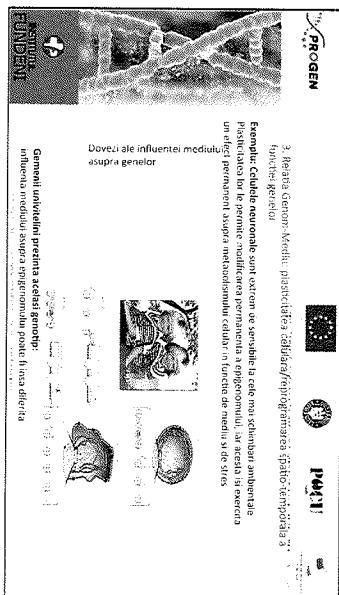
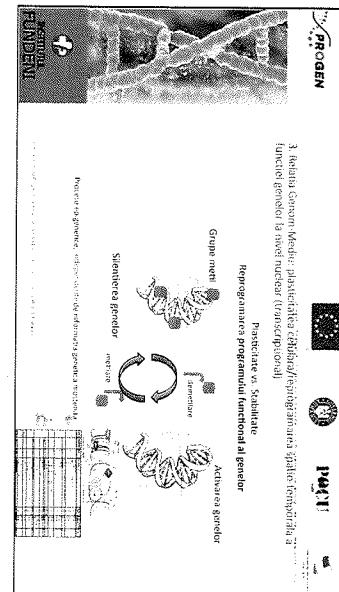
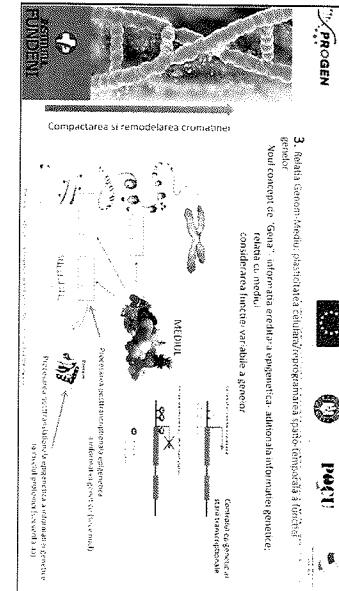
UNIVERSITATEA DE MEDICINA DIN BUCURESTI

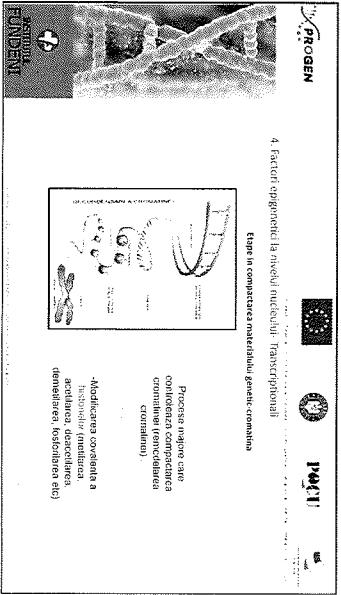
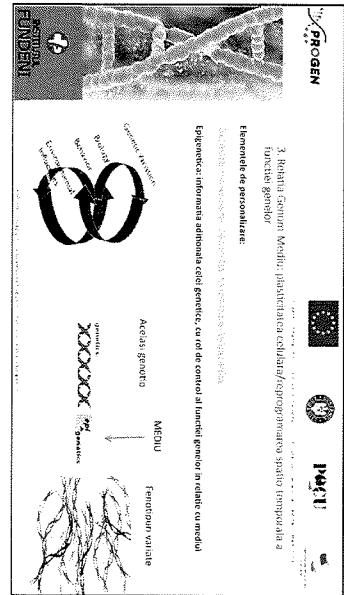
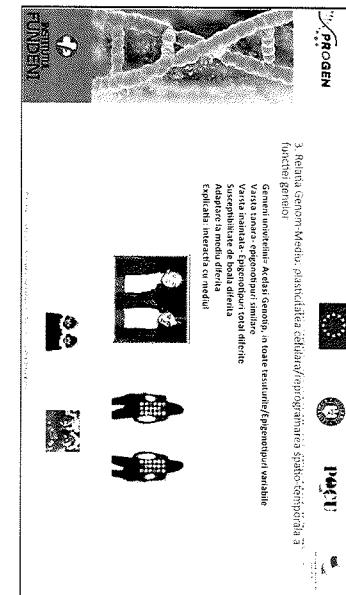
La Genetica Moleculară Modernă - include Genomica Funcțională

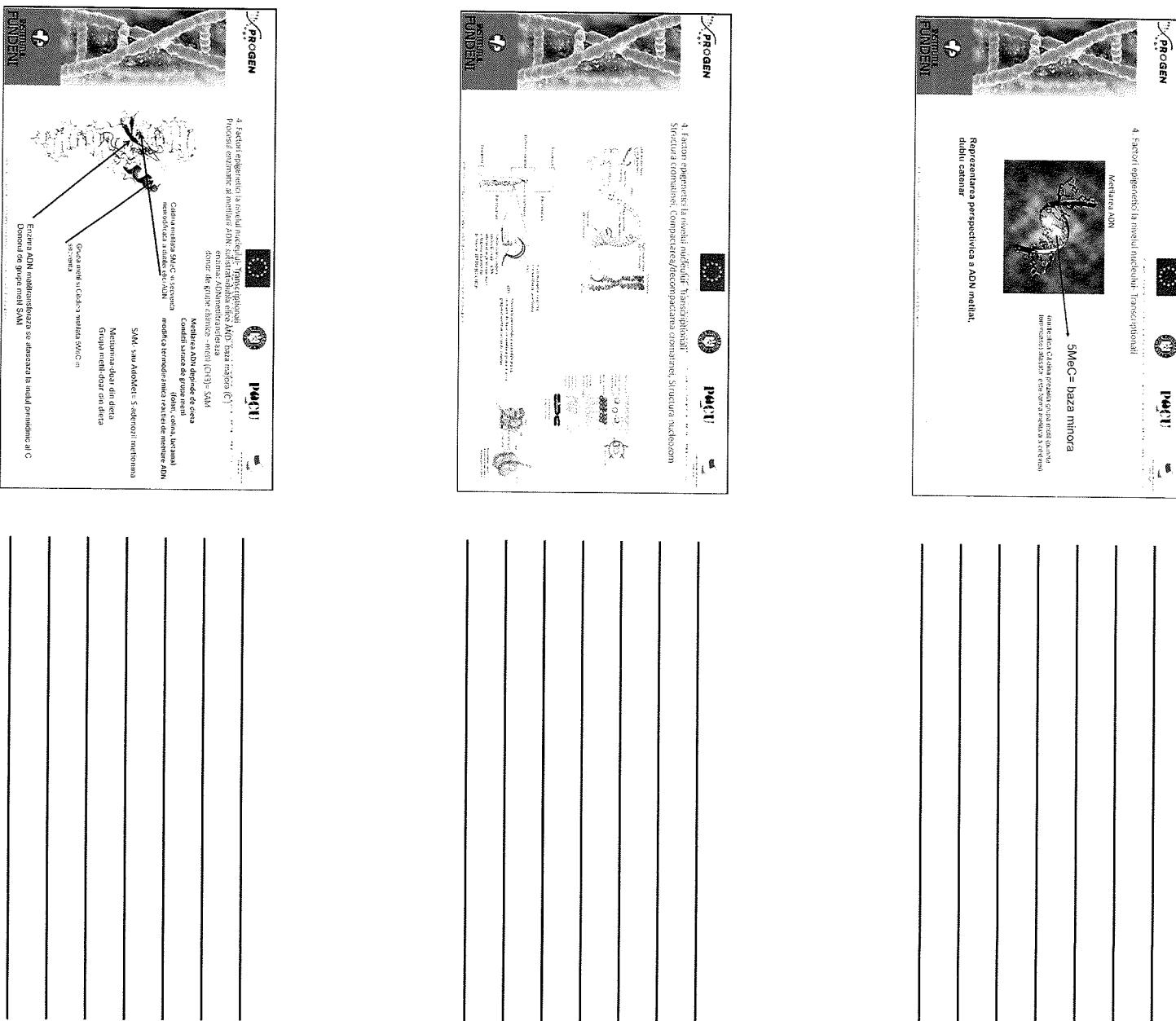
Fokus: Dianamică funcției genelor într-un context de mediu variabil











PROGEN

4 factori epigenetici la nivel nucleolar: Transcripțional, Chromatinic, modulat permanent de histone, care sunt rezultatul unei reacții de remodelare a nucleolului.

proCV

1. apărut în 1996, în urma unei reacții de remodelare a nucleolului.

FONDEN

PROGEN

A. Factori epigenetici la nivel nucleolar: Transcripțional, Chromatinic, modulat permanent de histone, care sunt rezultatul unei reacții de remodelare a nucleolului.

proCV

B. Remodelarea nucleolului:

- Nucleolul este un complex de proteine și ARN.
- Procesul de remodelare implica adăugarea și removația de histone și modificările post-translaționale ale acestora.
- Aceste schimbări pot să modifice conformația nucleolului și să împiedice sau să permită accesul la ARN.

Citește și: Mol Biol Cell (2005) 16(1)

FONDEN

PROGEN

A. Factori epigenetici la nivel nucleolar: Transcripțional, Chromatinic, modulat permanent de histone, care sunt rezultatul unei reacții de remodelare a nucleolului.

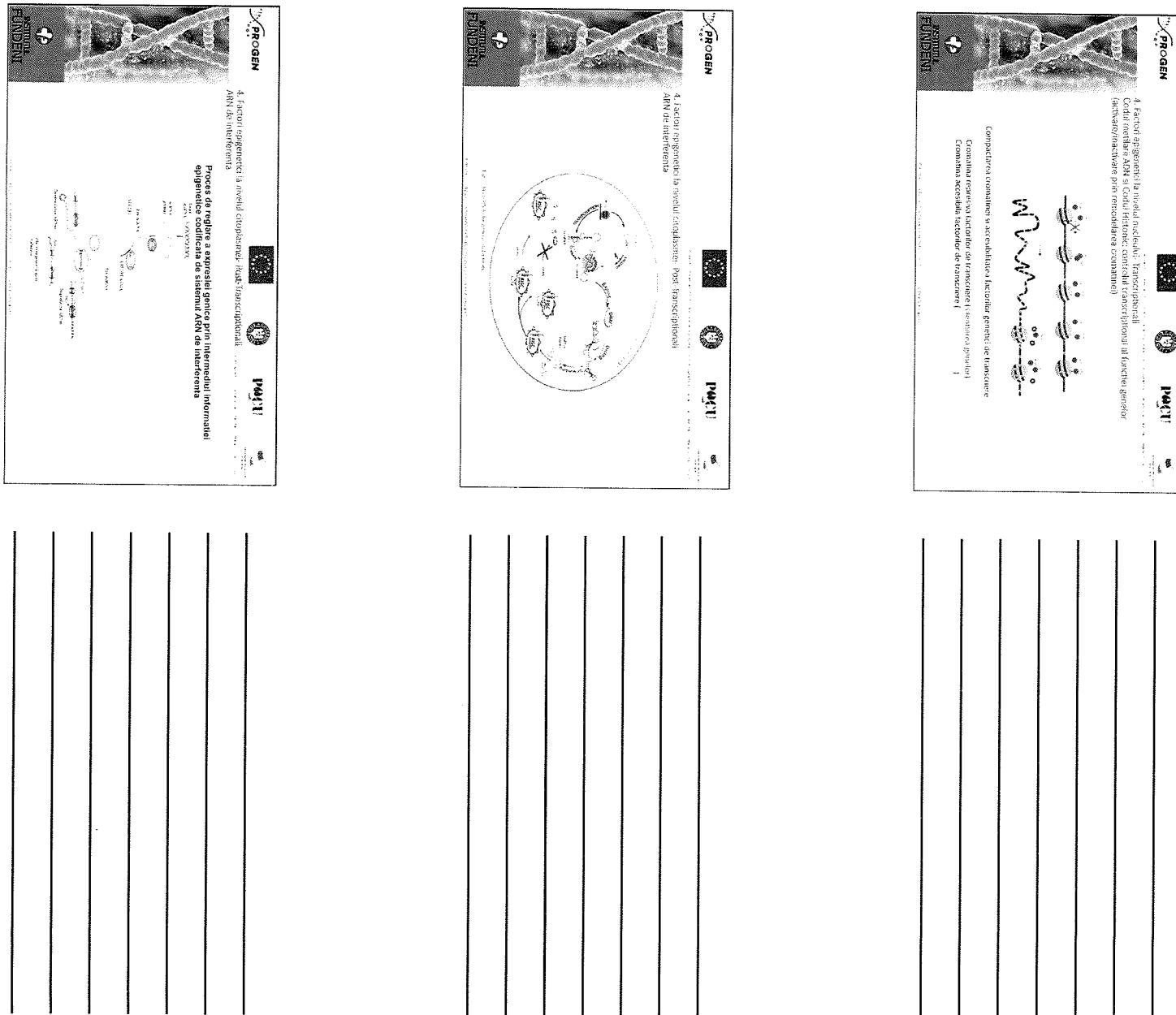
proCV

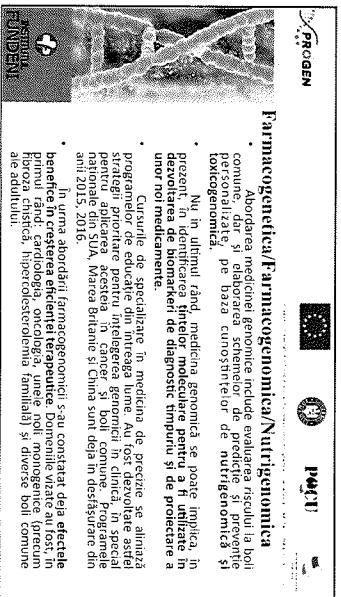
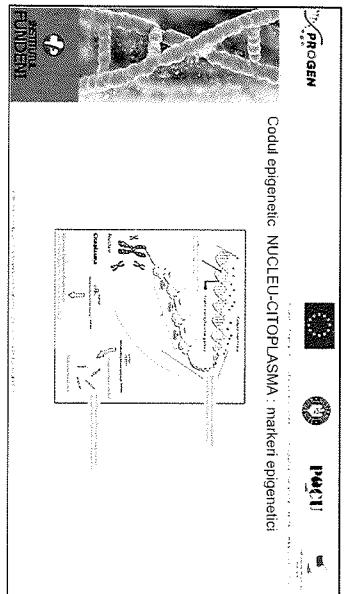
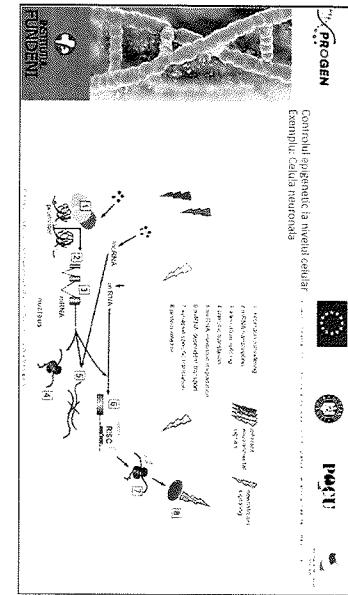
B. Remodelarea nucleolului:

- Nucleolul este un complex de proteine și ARN.
- Procesul de remodelare implica adăugarea și removația de histone și modificările post-translaționale ale acestora.
- Aceste schimbări pot să modifice conformația nucleolului și să împiedice sau să permită accesul la ARN.

Citește și: Mol Biol Cell (2005) 16(1)

FONDEN





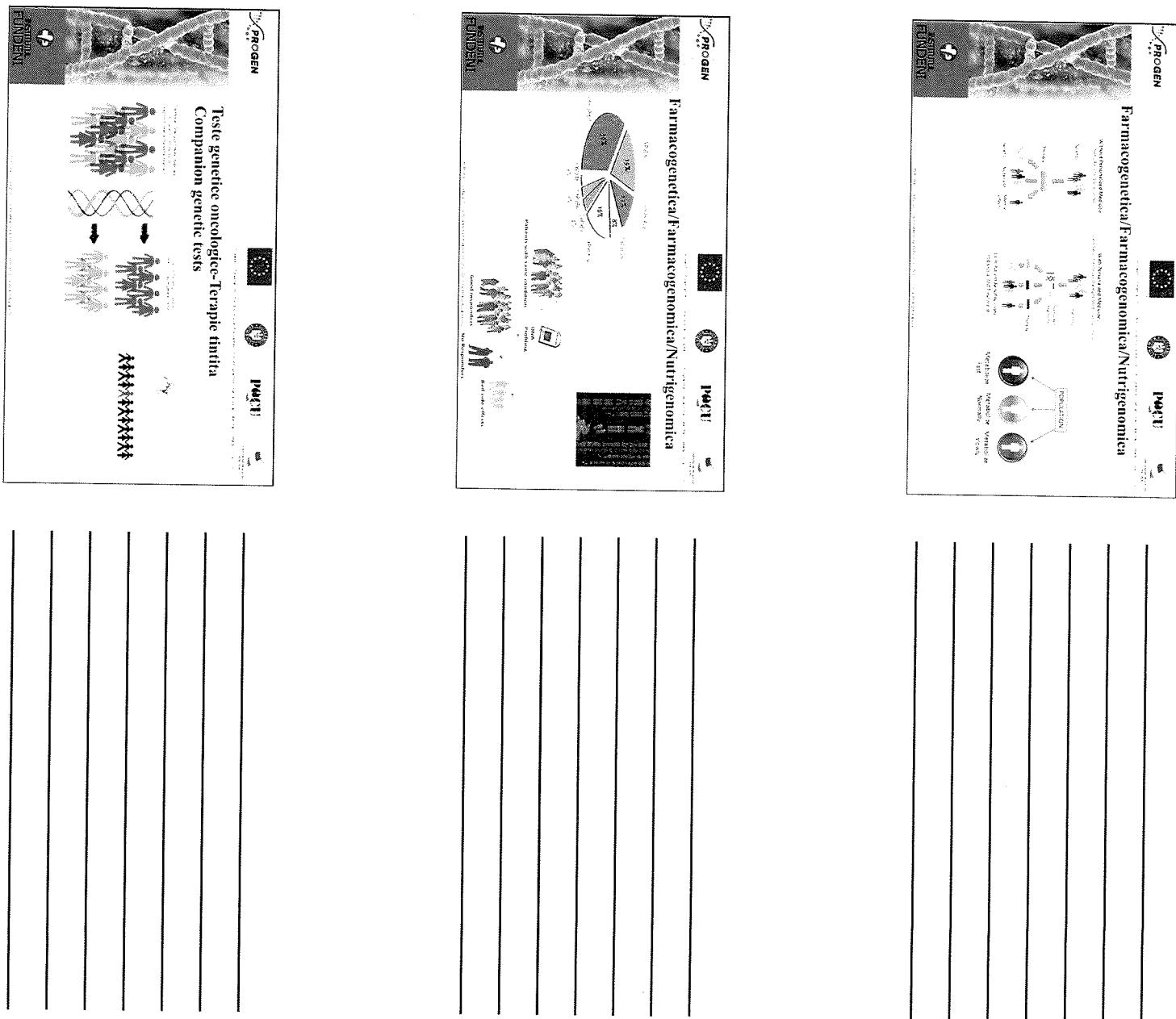
Farmacogenetica/Farmacogenomica/Nutrigenomica

Abordarea medicală genomică include evaluarea riscului la boala concreta și elaborarea schimbulor de practice și prevenție personalizată și cunoștințelor de nutrigenomica și toxicogenomica.

Nu în ultimul rând, medicina genomică se poate implica în dezvoltarea de biomarcatori de diagnostic timpuriu și de protecție a morii medicamente.

Curioito să specializeze în medicina de precizie se aliniază programele de educare din întreaga lume. Au apărut multe astfel de strategii prioritare pentru inteligența genomică în clinică. În special pentru aplicarea acestora în cancer și bolile comune. Programele naționale din SUA, Marca Britanică și China sunt deja în desfășurare din anul 2015, 2016.

In urma abordării farmacogenomici și au constat că efectele primului rand: cardiologa, oncologia, unele noul monogeneice (precum fibroza cistică, hipertensiunea familială) și diverse boli comune ale adulților.



PROGEN

NUTRIȚIA DE PRECIZIE

Utilizarea nutrigenetică în definirea noilor nutriționale individualizate

Introducere în nutrigenetica și nutrigenomica

- Procesul genitic de determinare a nevoilor nutritive
- Genele și nutriția nutriți și rezultate
- Elementele nutrigenetică și nutrigenomice
 - "Rulează geneticele actionabile" versus "Rulează genetice non-actionabile"

FUNDENI

PROGEN

POCU

Co-este și că nu este Nutrigenetică

✓ Co-este:

- Set de nutrigenetică → personalizarea nutriției în funcție de caracteristicile genetice individuale.
- Identifică varile genetice ce influențează → recomandările nutriționale.
- Nu înseamnă reconfigurarea rutinării sănătoase și sănătății.
- Una din strategiile susținute astăzi de către nutriție/sănătate/padologie.

✓ Co-NU este:

- Un nloc de diagnostic.
- Încadrarea în unei "categorii" nu este suficientă (nu este specifică) – ex: OVAZA (omega-3) – a devenit un medicament aprobat de FDA

FUNDENI

PROGEN

POCU

Co-este și că nu este Nutrigenetică

✓ Co-este:

- Set de nutrigenetică → personalizarea nutriției în funcție de caracteristicile genetice individuale.
- Identifică varile genetice ce influențează → recomandările nutriționale.
- Nu înseamnă reconfigurarea rutinării sănătoase și sănătății.
- Una din strategiile susținute astăzi de către nutriție/sănătate/padologie.

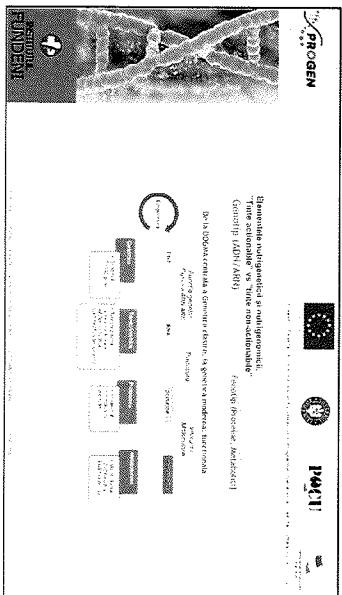
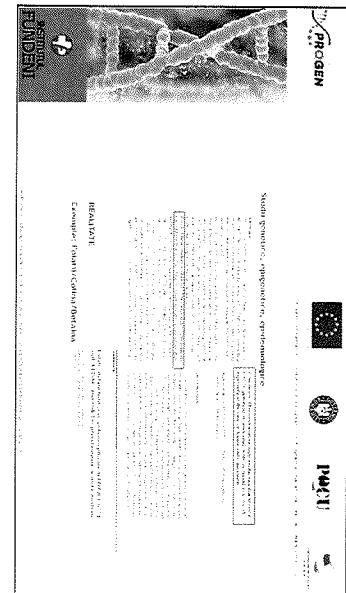
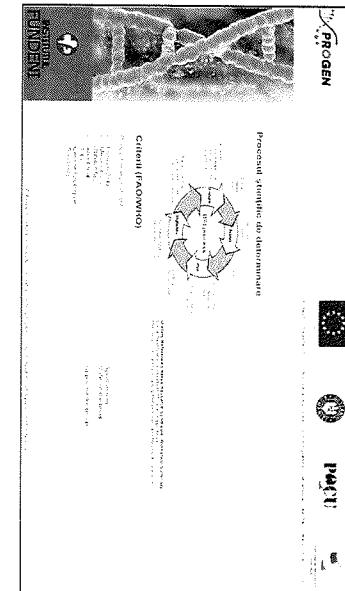
✓ Co-NU este:

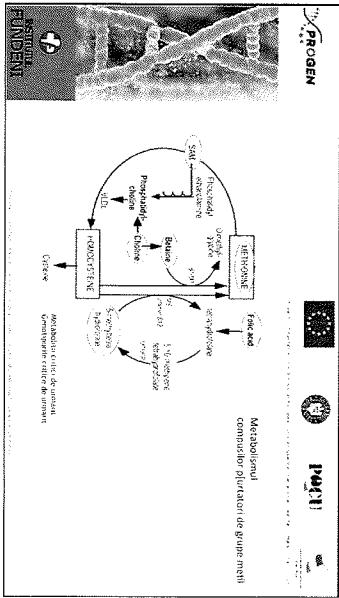
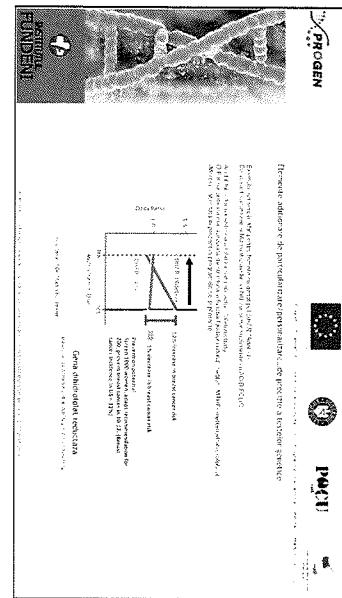
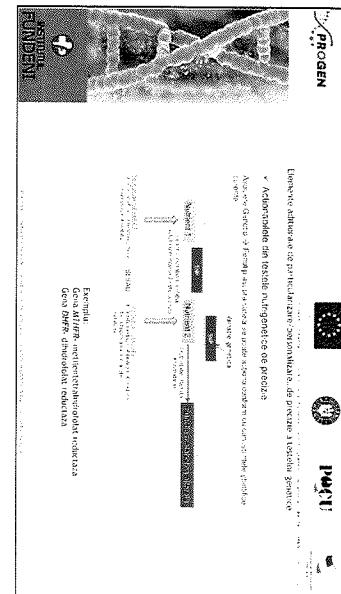
- Un nloc de diagnostic.
- Încadrarea în unei "categorii" nu este suficientă (nu este specifică) – ex: OVAZA (omega-3) – a devenit un medicament aprobat de FDA

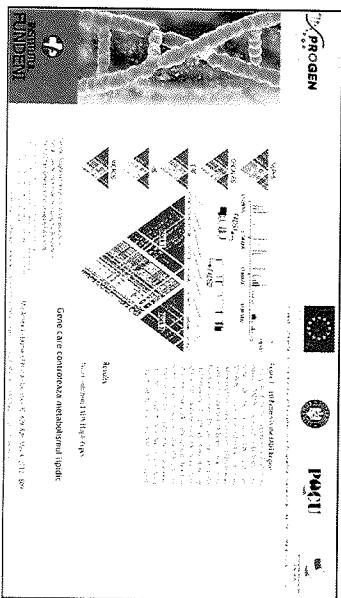
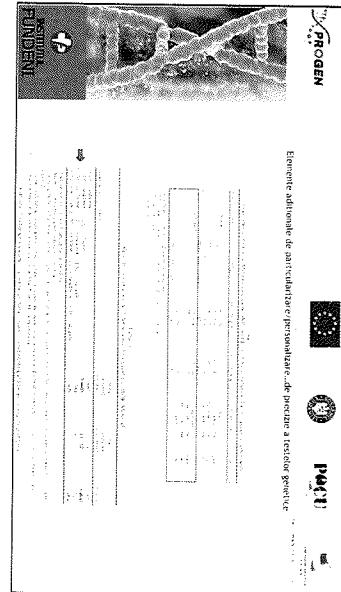
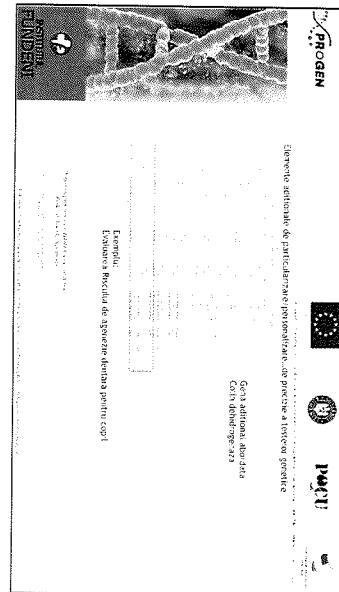
FUNDENI

NUTRIȚIA DE PRECIZIE / PERSONALIZATA

2.5/2016 - 2017







PROGEN

Beneficii/Perspectivă

Dacă văd o oportunitate să aducă în viață un program de genetica medicală, doar ca să împărtășească beneficiile de la abordarea interdisciplinară prețioasă și rînd de specializate sunt elemente decisive în acest sens.

Se impun deci cursuri de informare profundă care constă în medicația genomică. Aceasta implică dezvoltarea de programe de educație medicală continuă și actualizare permanentă a cunoștințelor. Lecțiile ar trebui să fie adaptate la nivelul său profesional și să aplice cunoștințele în practică. În plus, trebuie să fie adaptate la nivelul său profesional și să se potrivească cu cunoștințele și experiențele profesionale ale formatorilor.

Pentru că medicina genomică să fie folosită cu succes trebuie să se potrivească cu cunoștințele și experiențele profesionale ale formatorilor.

Citate, impune schimbările concernante de atitudine a medicilor și a specialiștilor în biomedicina. Bărbații merită să se potrivească cu cunoștințele și experiențele profesionale ale formatorilor.

Medicina genomică este de fapt capabilă să revoluționeze mediciina de la nivelul său profesional și să îmbunătățească cunoștințele și experiențele profesionale ale formatorilor.

Genomica permite o îngrijire mai bună a pacientului, dar și prevenirea bolilor.

PROGEN

Adresabilitate

Cursurile nu o ADRSEABILITATE și UTILITATE extrem de bășă. Ele se adresează specialiștilor din domeniul medical: în special al specializaților cu patologie genetică (pediatrica, obsterică, reumatologie, endocrinologie, abortivă), dar și medicilor specialiști din numeroase alte domenii (spre exemplu farmacogenetică).

Evident, circulația PROGEN se va concentra între specialiștii din operație medicală, către medicație din toate domeniile. Aceasta nu probabilitatea de a întâlni cunoștințe, aplicații și tehnici noi necesare formării cu succes a geneticii medicale în domeniul lor de specialitate.

Adresabilitatea redusă cu cativa măsuri la specialiștii preștemă și de la profesioniștii din biologie moleculată, în mare parte datorată faptului că aceștia nu au cunoștințe de genetica umană aplicată în medicină.

Fundator

